

CURRICULUM VITAE

Etat civil

Thierry de Meeûs

Né le 25 Février 1962 à Neuilly sur Seine (92).

Nationalité Française.

Libéré des obligations militaires depuis le 30/09/86.

Marié, un enfant.

DR1 IRD, N° Matricule: 00215272

Adresse personnelle: 7, Impasse des Elfes, 34980 St-Clément-de-Rivière, France.

Adresse professionnelle: Interactions hôtes - vecteurs – parasites-environnement dans les maladies tropicales négligées dues aux trypanosomatidae - (INTERTRYP), UMR 177 IRD, 17 CIRAD, TA A-17/G, Campus International de Baillarguet, 34398 Montpellier Cedex 5, France. Tel: +33 (0)4 67 59 37 44; Fax: +33 (0)4 67 59 38 94; Courriel: thierry.demeus@ird.fr; Site web: <http://t-de-meeus.fr/TdeMeeus.html>.

Diplômes

21 Janvier 1999: Habilitation à Diriger des Recherches soutenue à l'Université Montpellier II.

27 Juin 1991: Thèse de Doctorat de Physiologie et Biologie des Organismes et des Populations soutenue à l'Université Montpellier II: mention très honorable avec félicitations.

Septembre 1989: D.E.A. de Sciences de l'Evolution et Ecologie de l'Université Montpellier II.

Septembre 1988: D.E.A. de Parasitologie: Ecologie, Pathologie de l'Université Montpellier II.

Octobre 1987: D.E.S. de l'Université Montpellier II.

Juin 1985: Maîtrise de Biologie des Organismes et des Populations, mention Biologie Animale, obtenue à l'Université P. et M. Curie (Paris 6), mention Assez Bien.

12 Juillet 1980: Bac Série C obtenu à Versailles, mention Passable.

Activités professionnelles

1^{er} Aout 2015-Présent: Directeur de recherches de 1^{ère} classe à l'IRD au laboratoire Interactions hôtes - vecteurs - parasites dans les infections par des trypanosomatidae - (INTERTRYP), UMR177 IRD/CIRAD, TA A-17/G, Campus International de Baillarguet, 34398 Montpellier Cedex 5, France.

1^{er} Septembre 2012-31 Juillet 2015: Directeur de recherches de 1^{ère} classe à l'IRD au laboratoire Interactions hôtes - vecteurs - parasites dans les infections par des trypanosomatidae - (INTERTRYP), UMR177 IRD/CIRAD et affecté au Centre International de Recherche-Développement sur l'Elevage en zone Subhumide (CIRDES), 01 BP 454, Bobo-Dioulasso 01, Burkina-Faso.

5 Janvier 2012-1er Septembre 2012: Directeur de recherches de 2^{ème} classe à l'IRD au laboratoire Interactions hôtes - vecteurs - parasites dans les infections par des trypanosomatidae - (INTERTRYP), UMR177 IRD/CIRAD, TA A-17/G, Campus International de Baillarguet, 34398 Montpellier Cedex 5, France.

2 Mars 2009-4 Janvier 2012: Directeur de recherches de 2^{ème} classe au CNRS, mis à disposition de l'IRD au Laboratoire Interactions hôtes - vecteurs - parasites dans les infections par des trypanosomatidae - (INTERTRYP), UMR177 IRD/CIRAD et affecté au Centre International de Recherche-Développement sur l'Elevage en zone Subhumide (CIRDES), 01 BP 454, Bobo-Dioulasso 01, Burkina-Faso.

1^{er} Octobre 2005-1^{er} Mars 2009: Directeur de recherches de 2^{ème} classe au CNRS au laboratoire Génétique et Evolution des Maladies Infectieuses, UMR 2724 CNRS/IRD Montpellier.

1^{er} Janvier 2004-30 Septembre 2005: Chargé de recherches au CNRS au laboratoire Génétique et Evolution des Maladies Infectieuses, UMR 2724 CNRS/IRD Montpellier.

1^{er} Novembre 1998-31 Décembre 2003: Chargé de recherches au CNRS au Centre d'Etude sur le Polymorphisme des Microorganismes, UMR 9926 CNRS/IRD Montpellier.

1^{er} Octobre 1993-31 Octobre 1998: Chargé de Recherche au CNRS au Laboratoire de Biologie des Populations d'Helminthes Parasites, UMR 5555 CNRS/Université Montpellier II.

1^{er} Octobre 1992-30 Septembre 1993: Attaché Temporaire d'Enseignement et de Recherches en Génétique des Populations à l'Université Montpellier II.

1^{er} Octobre 1991-31 Mars 1992: Boursier du British Council pour poursuivre des Recherches Post-Doctorales à l'Université de Bangor (School of Biological Sciences, University of Wales, Bangor, Gwynedd, LL57 2UW, Royaume-Uni), dans l'équipe du Dr C.J. Gliddon.

1^{er} Novembre 1989-27 Juin 1991: Etudiant en thèse bénévole, Laboratoire de Parasitologie Comparée, URA 698 Université Montpellier II-CNRS.

1^{er} Octobre 1985-30 Septembre 1986: Service militaire à Spire (Allemagne).

Résumé des activités de recherche

Durant ma thèse, effectuée au Laboratoire de Parasitologie Comparée, URA 698 Université Montpellier II-CNRS, j'ai analysé les mécanismes de maintien du polymorphisme adaptatif, de l'évolution de la préférence d'habitat et de la spécialisation en environnement variable. Pour ce faire j'ai adopté une approche pluridisciplinaire d'études de terrain, d'expérimentations en conditions contrôlées et d'analyses théoriques (analytiquement et par simulations). Le modèle biologique correspondait à un système avec deux espèces de copépodes (crustacés) parasites de trois espèces de poissons plats (turbot, barbue et flet) en Méditerranée. J'ai également été amené à acquérir des compétences en programmation (en pascal) ainsi que dans les techniques d'électrophorèse des protéines.

Durant mon Post Doc à Bangor (University of WalesUK), je me suis familiarisé avec la génétique théorique des populations structurées, concernant en particulier l'estimation des paramètres F de Wright ainsi que les procédures statistiques les concernant (tests par randomisations).

De retour à Montpellier j'ai poursuivi mes recherches sur le maintien de la diversité adaptative et l'évolution de la préférence d'habitat, tout en m'impliquant de plus en plus dans l'analyse de la structure des populations des parasites et de leurs hôtes. J'ai aussi participé à d'autres programmes du laboratoire, concernant notamment les parasites manipulateurs de leurs hôtes.

Mes recherches se sont ensuite orientées durablement vers l'analyse des données et le développement d'outils de génétique des populations. Ceci m'a conduit à collaborer avec plusieurs membres de l'UMR Intertryp. J'ai rejoint cette équipe lors d'une mission de sept mois au Cirad Baillarguet, fin 2008, suivie d'une mise à disposition de trois années au Cirad à Bobo-Dioulasso Burkina-Faso, à mon intégration à l'IRD en Janvier 2012, une MLD de cinq mois au Cirad et une nouvelle expatriation de trois années de Septembre 2012 à Aout 2015. De retour au Cirad Baillarguet mes travaux se sont poursuivis en majorité sur l'analyse de données de génétique des populations (45 % environs), de développements théoriques (15%), les activités éditoriales (20%), et d'enseignements (20%).

Les organismes que j'ai eu à étudier sont de nature très diverse, ce qui m'a été utile dans l'appréhension des possibilités et limites des inférences biologiques que l'on peut faire, notamment à partir de marqueurs moléculaires, eu égard aux différences de cycles, modes de vie et même de ploïdie. Ces organismes sont les suivants: copépodes, bivalves marins, gastéropodes (pourpres, lymnées, planorbes), cestodes, trématodes, nématodes, gammarès, tiques, mouches tsé-tsé, leishmanies, malaria (*Plasmodium*), maladie du sommeil (trypanosomes), levures (*Candida*, *Aspergillus*), bactéries (*Borrelia*), rats.

A l'heure actuelle, mes programmes de recherche concernent principalement trois grands thèmes non-indépendants:

- l'adaptation en environnement variable dans les systèmes hôte-parasite-vecteur, divergence adaptative;
- l'étude des co-structures génétiques des populations hôtes et parasites par l'utilisation de marqueurs moléculaires et les inférences écologiques et épidémiologiques que l'on peut en faire;
- la génétique des populations théorique et appliquée des organismes clonaux ou partiellement clonaux.

Ces thèmes s'insèrent au niveau de programmes co-supervisés avec des collaborateurs internes et externes à l'équipe :

- Co-structures génétiques et biologie des populations des systèmes trypanosomes/mouches tsé-tsé/hôte vertébré en Afrique sub-saharienne;
- Développement ou amélioration des outils d'analyse de la structure génétique des populations;
- Génétique des populations des organismes clonaux ou partiellement clonaux, approches théoriques et empiriques (trypanosomes, leishmanies, levures).

L'adaptation en environnement variable et l'évolution de la préférence d'habitat, l'utilisation des outils de la génétique des populations pour inférer les paramètres de la biologie des populations des parasites et de leurs hôtes, et la génétique des populations clonales constituent par conséquent mes principaux champs d'investigation et d'expertise.

Publications, communications orales et posters

Synopsis

184 articles dont 55 en premier et 49 en dernier auteur, 67 avec des coauteurs du Sud (40 avec le 1^{er} auteur du Sud). 166 articles dans des revues avec comité de lecture, 66 avec des coauteurs du Sud. En Juillet 2025, 60 citations par article (sur 36 années), 3 citations par an par article (moyenne pondérée, âge moyen=18 ans). En Juillet 2025, H-index de 47 selon Clarivate's Web of Science Core Collection ou 48 pour "All data bases" (indiquer De Meeus T OR Demeus T OR De Meus T OR Demeus T OR Demeews T OR Meeus T OR Meus T), 55 selon Google Scholar consulté dans Harzing's Publish or Perish (indiquer "T De Meeus" OR "T Demeews" OR "T De Meus" OR "T Demeus" OR "T Meeus" OR "T Meus" OR "T Demeews", maximum number of results:500).

99 conférences et posters dont 27 en tant qu'invité et 28 avec des partenaires du Sud (7 avec partenaire du Sud en 1^{er} nom, 2 invitées), 71 conférences et posters internationaux dont 24 en tant qu'invité. N° ORCID 0000-0001-8807-241X

Détail et performances des publications (performances selon Google Scholar, moyennées, Juillet 2023)

Publications	N	Moyennes	
		Citations/anr	Age
Genetics	2	41.49	26.50
Hum Biol	1	26.80	25.00
J Hered	1	17.38	8.00
Heredity	3	13.20	16.33
elife	1	10.40	10.00
Cell Mol Life Sci	1	10.32	19.00
PNAS	4	6.09	17.25
J Evol Biol	1	4.79	34.00
Vet Parasitol	2	4.71	17.00
mSphere (ex Eukaryot. Cell)	1	4.53	17.00
BMC Bioinform	1	4.47	17.00
Evolution	4	4.28	24.75
Ecology	1	4.23	30.00
PLoS Path	2	3.76	17.00
Proc Roy Soc London B	2	3.70	27.00
PLoS NTD	11	3.47	11.73
Peer Community J	6	3.00	3.50
Exp Appl Acarol	1	2.92	13.00
Infect Genet Evol	32	2.92	13.94
Oikos	2	2.91	29.00
J Med Entomol	4	2.80	20.50
Mol Ecol	8	2.65	19.63
Trends Parasitol (ex Parasitol Today)	12	2.51	15.75
Parasites & Vectors	3	2.45	13.33
Estuaries & Coasts (ex Estuaries)	1	2.14	29.00
Book	2	2.11	9.50
Zh Obs Biol (J General Biol)	1	2.11	19.00
Evol Ecol	2	2.02	32.00
Acarologia	2	2.00	2.00
Int J Parasitol	6	2.00	28.17
Insect Mol Biol	1	1.96	26.00
Oecologia	1	1.94	31.00
J Appl Entomol	1	1.83	6.00
Med Mycol (J Med Vet Mycol)	1	1.83	29.00
Med Vet Entomol	2	1.58	21.50
Microbes Infect	4	1.56	21.00
Mar Ecol Prog Ser	3	1.53	26.00
Journal of Clinical Microbiology	2	1.44	27.00
J Theor Biol	1	1.43	35.00
Parasite	5	1.41	5.40
Mol Ecol Res (ex Mol Ecol Notes)	4	1.37	15.75
Parasitology	3	1.25	21.00
Genetica	1	1.24	17.00
Biodiv Conserv	1	1.20	30.00
Sci Rep	1	1.00	6.00
Can J Zool	1	0.84	31.00
J Parasit	1	0.77	22.00
Acta Trop	1	0.67	12.00
Evol Ecol Res	1	0.62	26.00
J Exp Zool Part A Ecological Genet & Physiol (ex J Exp Zool)	1	0.61	36.00
Acta Oecol	1	0.52	31.00
PCI Infect	1	0.50	2.00
Plos 1	1	0.50	2.00
Book Chapters	13	0.48	19.92
Mycoses	1	0.46	26.00
FEMS Microbiol Lett	1	0.38	24.00
Parasitol Res	1	0.31	26.00
Curr. Zool (ex Acta Zool Sinica)	1	0.15	20.00
Comp Parasitol (ex J Helminth Soc Wash)	3	0.13	31.00
Suds en ligne - Les dossiers thématiques de l'IRD	1	0.00	14.00
Toutes publications	184	3.32	18.03

Enseignements

Synopsis

2262 heures dispensées entre 1989 et 2025 (63 heures par an) aux étudiants (2^{ème} à 5^{ème} année) et stagiaires (stages de formation) dont 934 heures au Sud; avec une moyenne de 130 h/an ces quatre dernières années dont 47 h/an au Sud.

Rédaction d'un fascicule d'une trentaine de pages sur les concepts d'adaptation en environnement variable et de "soft" et "hard selection" destiné aux étudiants de Maîtrise et de DEA et pouvant également servir aux enseignants-chercheurs. Rédaction de notices d'utilisation pas à pas de logiciels: Introduction à l'utilisation au logiciel R et au package R commande, DAPC; Construire un arbre Neighbour-joining (NJTree) avec bootstraps; FreeNA, Colony. Modèles de feuilles de calculs pour effectuer différents tests (bâton brisé, détection de stuttering). Toutes ces notices et modèles sont téléchargeables sur mon site web à <http://www.t-de-meeus.fr/EnseignMeeus.html>.

Elaboration d'un programme pour simuler l'évolution de la sélection d'habitat et de l'adaptation à un environnement variable en vue d'une utilisation en TP de génétique des populations. Ce programme est disponible sur <http://www.t-de-meeus.fr/ProgMeeus.html>.

Détail horaire des enseignements (MAD=mis à disposition)

Année	Heures	Sud	Statut
1989	15		Thésard
1990	30		Thésard
1991	27		Thésard
1992	108		Post-Doc/Ater
1993	96		Ater/CR2-CNRS
1994	30		CR2-CNRS
1995	36		CR2-CNRS
1996	33		CR2-CNRS
1997	33		CR2-CNRS
1998	22		CR2-1-CNRS
1999	10		CR1-CNRS
2000	11		CR1-CNRS
2001	14.25		CR1-CNRS
2002	17.75		CR1-CNRS
2003	17.75		CR1-CNRS
2004	18		CR1-CNRS
2005	17		CR1-DR2-CNRS
2006	19		DR2-CNRS
2007	25	8	DR2-CNRS
2008	9		DR2-CNRS
2009	36	21	DR2-CNRS
2010	57	45	DR2-CNRS/MAD IRD
2011	75	60	DR2-CNRS/MAD IRD
2012	137	113	DR2-1-IRD
2013	145	97	DR1-IRD
2014	177	177	DR1-IRD
2015	92	92	DR1-IRD
2016	55	46	DR1-IRD
2017	61	14	DR1-IRD
2018	142	71	DR1-IRD
2019	97		DR1-IRD
2020	25		DR1-IRD
2021	55		DR1-IRD
2022	152	40	DR1-IRD
2023	126	46	DR1-IRD
2024	144	31	DR1-IRD
2025	97.5	72.5	DR1-IRD

Animation, administration et évaluation de la recherche et de l'enseignement supérieur

Coordinateur des options 28t et 28u (Génétique et Evolution) de la Maîtrise BOP de Montpellier II pour l'année 1992/1993.

Responsable informatique du Laboratoire de Parasitologie Comparée (Montpellier II) de 1992-1995. Mise en place du réseau internet dans le laboratoire.

Responsable de l'option "Relations symbiotiques" du DEA "Biologie de l'Evolution et Ecologie" (Montpellier II) (1999).

Membre du jury du DEA de Sciences de l'Evolution et Ecologie de Montpellier (Septembre 1997, 1998, 1999).

Membre élu du comité de laboratoire du CEPM, UMR 9926 CNRS/IRD, de Juin 2000 à Décembre 2003.

Responsable de l'équipe "Structure Génétique et Adaptation des Systèmes Symbiotiques" (SGASS) du Gemi, UMR 2724 CNRS/IRD Montpellier, de Septembre 2002 à Septembre 2008.

Création et gestion du site web de l'équipe SGASS de Mai 2002 à Septembre 2008.

Membre du comité d'organisation du Petit Poids Dérivé de Montpellier 2002 qui s'est déroulé les 27-31 août.

Organisation du Symposium 11 "Population Genetic Structure & Molecular Epidemiology" du 10th European Multicolloquium of Parasitology (EMOP X), Paris the 24-29 August 2008.

Membre du comité scientifique des conférences MEEGID X (Amsterdam, November 3-5 2010), XIII (Antwerp, May 11-13 2016) et XIV (Sitges, November 6-9 2018).

Membre de 20 jurys de thèse dont sept en tant que rapporteur et d'un jury d'HDR.

Membre du comité d'évaluation pour la partie "Interactions Durables" du programme "Environnement et Sociétés: Comité Dynamique de la Biodiversité et Environnement" (1997).

Mise en place du groupe de réflexion Tiques et Maladies à Tiques du REID, Organisation de la première réunion de ce groupe à Montpellier le 17 Décembre 2004 et co-organisation de celles du 15-16 Décembre 2005 à l'Institut Pasteur Paris et du 27 Octobre 2006 au centre INRA de Theix (Clermont-Ferrand). Responsable du groupe de 2004 à 2007. Création et maintien du site web de ce groupe: <http://gemi.mpl.ird.fr/SiteSGASS/GroupeTiqueREID/GroupeTiqueREID.html> jusqu'en Septembre 2008.

Membre du bureau du Réseau Ecologie des Interactions Durables (REID) de Janvier 2006 à Décembre 2008.

Suppléant nommé à la commission de spécialiste de la section 67 de l'Université de Perpignan (2006-2008).

Représentant suppléant élu de la filière BDI (Biologie des Interactions) de l'école doctorale GAIA (Biodiversité, Agriculture, Alimentation, Environnement, Terre, Eau), de l'Université de Montpellier, depuis le 13/03/2023, jusqu'à Juillet 2026.

Membre élu de la commission scientifique sectorielle 2 (Sciences biologiques et médicales) de l'IRD depuis Septembre 2024 (fin de mandat en 2028).

Membre du comité scientifique pour la réhabilitation zoo/ Grand Parc de Lunaret depuis mars 2024.

Receiving Editor du journal *Infection, Genetics and Evolution*: Octobre 2009-Mars 2022.

Recommender pour *PCI Evolutionary Biology* depuis Septembre 2018.

Recommender pour *PCI Ecology* depuis Septembre 2018.

Recommender pour *PCI Microbiology* depuis Avril 2022.

Co-fondateur de *PCI Infections*, Co-administrateur depuis Juin 2021.

Membre de la PCI Association depuis Juin 2021.

Membre de l'Editorial Board de Peer Community Journal depuis Novembre 2021.

Evaluation de programmes: NERC (Natural Environment Research Council) (Royaume-Uni) (1), Research Council of Norway (Norvège) (1); MENRT (Ministère de l'Education Nationale, de la Recherche et de la Technologie) (1); BRG (Bureau des Ressources Génétiques) (1), BQR Orsay (1), ECOS-Sud (1), ANR (5), IFB/Département EDD CNRS (1), BSTD/BEST DSF IRD/DPF IRD/AIRD (4), IFS (International Foundation for Science) (Suède) (19), Netherlands Organisation for Scientific Research (1), Fondation Nationale pour la Recherche du Luxembourg (FNR) (1), Deutsche Forschungsgemeinschaft (DFG) (1).

"Referee" pour plusieurs revues scientifiques (169 en tout, 6 articles évalués par an sur ces dix dernières années): *PCI Ecology* (3), *Proceedings of the National Academy of Sciences of USA* (2), *Trends in Ecology and Evolution* (1), *Trends in Parasitology* (5), *Ecology Letters* (5), *CMLS* (3), *BMC Biology* (3), *American Naturalist* (2), *Genetics* (2), *Evolution* (3), *Molecular Ecology* (36), *Molecular Ecology Resources* (5), *Proceedings of the Royal Society of London B* (1), *Heredity* (7), *Scientific Reports* (1), *PLoS Neglected Tropical Diseases* (10), *Parasites & Vectors* (2); *Bioinformatics* (1), *Journal of Evolutionary Biology* (1), *International Journal for Parasitology* (9), *Parasitology Research* (1), *Evolutionary Ecology* (1), *BMC Ecology* (3), *BMC Evolutionary Biology* (2), *Infection Genetics and Evolution* (13), *Parasitology* (1), *Emerging Infectious Diseases* (2), *Biological Journal of the Linnean Society* (1), *Experimental Parasitology* (4), *Transactions of the Royal Society of Tropical Medicine and Hygiene* (6), *Evolutionary Applications* (3), *Canadian Journal of Zoology* (1), *Journal of Parasitology* (1), *Journal of Insect Science* (1), *ICES Journal of Marine Science* (1), *Acta Oecologica* (1), *Parasites* (10), *PLoS One* (1), *Frontiers in Cellular and Infection Microbiology* (1), *Acta Tropica* (3), *Game and Wildlife* (1), *Crustaceana* (1), *Helminthologia* (1), *Bulletin of Entomological Research* (2), *Saudi Medical Journal* (1), *International Journal of Tropical Insect Science* (1), *Medical and Veterinary Entomology* (1), *Acta Parasitologica* (1), *American Journal of Tropical Medicine and Hygiene* (1).

Prix "Top Reviewer in 2011" délivré par *International Journal for Parasitology*.

Top reviewer pour *Molecular Ecology* 2012-2015.

Evaluateur de projet d'ouvrages: Elsevier (2).

Membre élu du Conseil de Représentation de l'IRD au Burkina Faso de Décembre 2013 à Juillet 2015.

Représentant par intérim de l'IRD au Burkina Faso du 23-12/2014 au 01/01/2015.

Co-Animateur de l'Axe 4: Formation, Expertise, Valorisation de l'UMR 177 IRD-CIRAD Interactions hôtes - vecteurs – parasites-environnement dans les maladies tropicales négligées dues aux trypanosomatidae - (INTERTRYP) depuis Octobre 2014, jusqu'en 2025.

Référent pour l'école doctorale GAIA de Montpellier depuis 2016: deux thésards suivis.

Expertises et consultances

Mises au point, génotypages et analyses de données de glossines pour l'AIEA: 49 000 euros depuis 2017 (Resp S. Ravel) (environ 15 journées par an). Analyses des données et construction de la trame d'articles pour l'AIEA: "Consultancy Meeting on the Analysis of Cocoa Pod Borer and Tsetse Data at the IAEA's Laboratories in Seibersdorf, Austria, from 18 July 2022 to 22 July 2022"

Encadrement de chercheurs et d'étudiants

Chercheurs confirmés: 12.

Thésards: 11 en co-direction et trois en tant qu'encadrant principal.

Thésards en stage (15 jours/6 mois): 5.

Diplômants Suisses: 2.

Stagiaires de DEA ou Master 2: 12 (Evolution et Ecologie de Montpellier II, Ecologie Générale et Productions Végétales de Paris XI, BGAE BIMP Montpellier, Gestion Intégrée des Ressources Naturelles Bobo-Dioulasso, EcoEpi de Montpellier), dont 10 en tant que stage principal et 10 bourses de thèses obtenues.

Stagiaires de 2^{ème} cycle (Maîtrise BOP et Biochimie Montpellier II et Magister ENS Lyon): 5.

Contrats de recherche

Obtention du financement de six projets de recherches (CNRS, Ministère des Affaires Etrangères et Ministère de l'Ecologie et du Développement durable, ANR SEST, PEERS de l'AIIRD). Participation à trois programmes Européen (Vivax NIS, TFCASS, Combat), à un projet de l'OMS-APW et à un projet FSP (REFS). Laboratoire mixte international (LMI) LAMIVECT, IRD; TrypanoGEN (H3Africa) (NIH and Wellcome Trust); Deux projets ANR sur les organismes clonaux: Clonix et Clonix 2D.

Primes

Part C3 du RIPEC (prime individuelle) au titre de la période courant du 1er janvier 2024 au 31 décembre 2026.

Vulgarisation

Conférences au Centre Culturel Français de Bobo-Dioulasso Henri Matisse:

- 1) "Concepts d'espèce et évolution: l'impossible pardon", Mercredi 17 Février 2010, 18h30.
- 2) "Devine qui vient dîner ce soir? Une histoire de parasites...", Mercredi 22 Février 2012, 18h30.

Fiches d'actualité de l'IRD: Les parasites *Leishmania* dévoilent leur sexualité. Fiches d'actualité scientifique, IRD, Actualité Scientifique N°481, Juin 2015.

- 1) IRD News: Les parasites *Leishmania* dévoilent leur sexualité. Fiches d'actualité scientifique, IRD, Actualité Scientifique N°481, Juin 2015.

"Devine qui vient dîner ce soir? Une histoire de parasites...", Conférence débat pour les écoliers du primaire:

- 1) Ecole élémentaire de Montferrier sur Lez, le 16/10/2018, 15h20-16h45.
- 2) Ecole élémentaire J. Delteil de Grabels, le 07/10/2019, 15h20-16h45.
- 3) Ecole élémentaire Docteur Calmette de Montpellier, le 11/10/2019, 8h30-10h.

IRD le Mag:

- 1) La maladie du sommeil: enquête sur un "unusual suspect", le 08/11/2019, <https://lemag.ird.fr/fr/maladie-du-sommeil-enquete-sur-un-unusual-suspect>.

Promotion de PCI

22/11/2020, 11h-12h: Présentation de l'initiative *PCI* et du projet de *PCI Infectious Diseases* (devenu *PCI Infections* depuis), Séminaires Mivegec, Montpellier.

Aout 2022: présentation du projet *PCI*, de *PCI Infections* et du journal *PC Journal* au TTP10 (De Meeûs T., Coustau C., Amich J. The Peer Community In (PCI) project, *PCI Infections*, and the Peer Community Journal. 10th Tick and Tick-borne Pathogen conference (TTP.10), 29 August- 2 September 2022, Murighiol, Danube Delta, Romania).

The peer community in (PCI) project, pci infections, and the peer community journal: a diamond open access way to publish research results on trypanosomes and their vectors. Poster, 36th general conference of the international scientific council for trypanosomiasis research and control (ISCTRC), 17th September 2023 - 22nd September 2023, Mombassa Kenya.

Peer Community In. 1st Annual Montpellier Parasitology Symposium (MPS), 27th November 1.30pm - 28th November 6pm 2023, Poster, Agropolis, Amphithéâtre Louis Malassis.

Logiciels

Programme Habitat pour simuler l'évolution de la sélection d'habitat et de l'adaptation à un environnement variable en vue d'une utilisation en TP de génétique des populations.

Programme Clonality permettant de tester la relation entre succès clonal et hétérozygotie (Prugnolle et al. 2008, Mol. Ecol. Res., **8**, 954–956).

Programme MultiTest V1-2 permettant de combiner des *P*-values de tests indépendants par la méthode binomiale généralisée (De Meeûs et al. 2009, BMC Bioinf. **10**, 443)).

Ouvrages

De Meeûs, T. 2012. *Initiation à la génétique des populations naturelles: Applications aux parasites et à leurs vecteurs*. IRD Editions, Marseille.

De Meeûs, T. 2021. *Initiation à la génétique des populations naturelles: Applications aux parasites et à leurs vecteurs, 2^e Edition revue et augmentée*. IRD Editions, Marseille.

Editeur de numéros spéciaux de revues scientifiques

Tibayrenc M., de Meeûs T. and Morand S. 2018. Special Section on "Ecology and Epidemiology of Transmissible Diseases: Modern Methodologies". *Infection Genetics and Evolution* **63**: 291-419.

Annexes

Détail chronologique des publications

La plupart de ces articles sont disponibles en format pdf à <http://t-de-meeus.fr/ArtiPDF.html>. *: Contributed equally

- 1) **De Meeûs T.**, Renaud F. and Gabrion C. 1990. A model for studying isolation mechanisms in parasite populations: the genus *Lepeophtheirus* (Copepoda, Caligidae). *The Journal of Experimental Zoology* **254**, 207-214. <https://doi.org/10.1002/jez.1402540213>
- 2) Renaud F. and **De Meeûs T.** 1991. A simple model of host-parasite evolutionary relationships. Parasitism: compromise or conflict? *Journal of Theoretical Biology* **152**, 319-327. [https://doi.org/10.1016/S0022-5193\(05\)80197-3](https://doi.org/10.1016/S0022-5193(05)80197-3)
- 3) Hochberg M.C., Michalakis Y. and **De Meeûs T.** 1992. Parasitism as a constraint on the rate of life history evolution. *Journal of Evolutionary Biology* **5**, 491-504. <https://doi.org/10.1046/j.1420-9101.1992.5030491.x>
- 4) **De Meeûs T.**, Marin R. and Renaud F. 1992. Genetic heterogeneity within populations of *Lepeophtheirus europaensis* (Copepoda, Caligidae) parasitic on two host species. *International Journal for Parasitology* **22**, 1179-1181. [https://doi.org/10.1016/0020-7519\(92\)90039-N](https://doi.org/10.1016/0020-7519(92)90039-N)
- 5) Ba C.T., Wang X.Q., Renaud F., Euzet L., Marchand B. and **De Meeûs T.** 1993. Diversity and specificity in cestodes of the genus *Moniezia*: genetic evidence. *International Journal for Parasitology*. **23**, 853-857. [https://doi.org/10.1016/0020-7519\(93\)90049-5](https://doi.org/10.1016/0020-7519(93)90049-5)
- 6) **De Meeûs T.**, Michalakis Y., Renaud F. and Olivieri I. 1993. Polymorphism in heterogeneous environments, habitat selection and sympatric speciation: Soft and hard selection models. *Evolutionary Ecology* **7**, 175-198. <http://dx.doi.org/10.1007/BF01239387>
- 7) **De Meeûs T.**, Raibaut A. and Renaud F. 1993. Comparative life history of two species of sea lice. In *Pathogens of wild and farmed fish: sea lice* (Boxshall, G.A. and Defaye D. eds.), Ellis Horwood, Chichester, pp 61-67. <https://www.t-de-meeus.fr/Publications/SeaLice93a.pdf>
- 8) **De Meeûs T.**, Raibaut A. and Renaud F. 1993. Speciation and specificity in parasitic copepods: caligids of the genus *Lepeophtheirus* parasites of flatfishes in the Mediterranean. In *Pathogens of wild and farmed fish: sea lice*, (Boxshall, G.A. and Defaye D. eds.), Ellis Horwood, Chichester, pp 143-150. <https://t-de-meeus.fr/Publications/SeaLice93b.pdf>
- 9) Ba C.T., Wang X.Q., Renaud F., Euzet L., Marchand B. and **De Meeûs T.** 1994. Diversity in the genera *Avitellina* and *Thysaniezia* (Cestoda: Cyclophyllidae): Genetic evidence. *Journal of the Helminthological Society of Washington*. **61**, 57-60. <https://archive.org/download/journal-helminthological-society-washington-61-001-057-060/journal-helminthological-society-washington-61-001-057-060.pdf>
- 10) Goudet J., **De Meeûs T.**, Day A.J. and Gliddon C.J. 1994. The different levels of population structuring of dogwhelks, *Nucella lapillus*, along the south Devon coast. In *Genetics and evolution of aquatic organisms*, (A. Beaumont ed.), Chapman and Hall, London, pp 81-95. <https://t-de-meeus.fr/Publications/GoudetetAl1994Nucella-lapillus.pdf>
- 11) **De Meeûs T.**, Morand S., Magnan N., Do Chi T. and Renaud F. 1995. Comparative host-parasite relationship of two copepod species ectoparasite on three fish species. *Acta Oecologica* **16**: 361-374. https://www.researchgate.net/publication/292010195_Comparative_host-parasite_relationship_of_two_copepod_species_ectoparasitic_on_three_fish_species

- 12) Thomas F., Renaud F., Rousset F., Cezilly F. and **De Meeûs T.** 1995. Differential mortality of two closely related host species induced by one parasite. *Proceedings of the Royal Society of London Series B-Biological Sciences* **260**: 349-352. <https://doi.org/10.1098/rspb.1995.0103>
- 13) Thomas F., Renaud F., Derothe J.M., Lambert A., **De Meeûs T.** and Cezilly F. 1995. Assortative pairing in *Gammarus insensibilis* (Amphipoda) infested by a trematode parasite. *Oecologia* **104**: 259-264. <https://doi.org/10.1007/BF00328591>
- 14) Thomas F., Renaud F., **De Meeûs T.** and Cezilly F. 1995. Parasite age and the Hamilton Zuk hypothesis: inferential fallacy? *Oikos* **74**: 305-309. <https://doi.org/10.2307/3545660>
- 15) Thomas F., Lambert A., **De Meeûs T.**, Cezilly F. and Renaud F. 1995. Influence of *Microphallus hoffmanni* (Trematoda, Microphallidae) on the survival, sexual selection and fecundity of *Gammarus aequicauda* (Amphipoda). *Canadian Journal of Zoology* **73**: 1634-1639. <https://doi.org/10.1139/z95-194>
- 16) **De Meeûs T.**, Hochberg M.E. and Renaud F. 1995. Maintenance of two genetic entities by habitat selection. *Evolutionary Ecology* **9**, 131-138. <https://doi.org/10.1007/BF01237752>
- 17) Thomas F., Verneau O., **De Meeûs T.** and Renaud F. 1996. Parasites as to host evolutionary prints: insight into host evolution from parasitological data. *International Journal for Parasitology* **26**: 677-686. [https://doi.org/10.1016/0020-7519\(96\)00023-9](https://doi.org/10.1016/0020-7519(96)00023-9)
- 18) Rodriguez E., **De Meeûs T.**, Mallié M., Renaud F., Symoëns F., Mondon P., Piens M.A., Lebeau B., Viviani M.A., Grillot R., Nolard N., Chapuis F., Tortorano A.M. and Bastide J.M. 1996. Multicentric epidemiological study of *Aspergillus fumigatus* isolates by multilocus enzyme electrophoresis. *Journal of Clinical Microbiology* **34**: 2559-2568. <https://doi.org/10.1128/jcm.34.10.2559-2568.1996>
- 19) Rousset F., Thomas F., **De Meeûs T.** and Renaud F. 1996. Inference of parasite induced host mortality from distributions of parasite loads. *Ecology* **77**: 2203-2211. <https://doi.org/10.2307/2265713>
- 20) Goudet J., Raymond M., **De Meeûs T.** and Rousset F. 1996. Testing differentiation in diploid populations. *Genetics* **144**: 1933-1940. <https://doi.org/10.1093/genetics/144.4.1933>
- 21) Renaud F., Clayton D. and **De Meeûs T.** 1996. Biodiversity and evolution in host-parasite associations. *Biodiversity and Conservation* **5**: 963-974. <https://doi.org/10.1007/BF00054414>
- 22) Thomas F., **De Meeûs T.** and Renaud F. 1996. Patterns of infection of *Gammarus aequicauda* (Amphipoda) with metacercariae of *Levinseniella tridigitata* (Trematoda). *Journal of the Helminthological Society of Washington* **63**: 8-11. <https://hal.science/hal-02536740v1>
- 23) **De Meeûs T.** and Renaud F. 1996. Evolution of adaptive polymorphism in spatially heterogeneous environments. In *The Genesis and Maintenance of Biological Diversity* (M.E. Hochberg, J. Clobert and R. Barbault eds.), pp 88-98, Oxford University Press. <https://t-de-meeus.fr/Publications/DeMeeus&Renaud1996AdapPolymChap5Book.pdf>
- 24) Pujol C., Renaud F., Mallié M., **De Meeûs T.** and Bastide J.M. 1997. Atypical strains of *Candida albicans* recovered from AIDS patients. *Journal of Medical and Veterinary Mycology* **35**: 115-121. <https://doi.org/10.1080/02681219780001001>
- 25) Delaye C., Béati L., Aeschlimann A., Renaud F. and **De Meeûs T.** 1997. Population genetics structure of *Ixodes ricinus* in Switzerland from allozymic data: No evidence of divergence between nearby sites. *International Journal for Parasitology* **27**: 769-773. [https://doi.org/10.1016/S0020-7519\(97\)00040-4](https://doi.org/10.1016/S0020-7519(97)00040-4)
- 26) Raymond M., Vääntö R.L., Thomas F., Rousset F., **de Meeûs T.** and Renaud F. 1997. Heterozygote deficiency in the mussel *Mytilus edulis* complex revisited. *Marine Ecology Progress Series* **156**: 225-237. <http://dx.doi.org/10.3354/meps156225>
- 27) Thomas F., Cezilly F., **De Meeûs T.**, Crivelli, A. and Renaud F. 1997. Parasites and ecology of wetlands: a review. *Estuaries* **20**: 646-654. <http://dx.doi.org/10.2307/1352622>
- 28) Thomas F., Mete K., Helluy S., Santalla F., Verneau O., **De Meeûs T.**, Cezilly F. and Renaud F. 1997. Hitch-hiker parasites or how to benefit from the strategy of another parasite. *Evolution* **51**: 1316-1318. <https://doi.org/10.1111/j.1558-5646.1997.tb03978.x>
- 29) **De Meeûs T.**, Michalakakis Y. and Renaud F. 1998. Santa Rosalia revisited or why are there so many kinds of parasites in 'the garden of earthly delights'? *Parasitology Today* **14**: 10-13. [https://doi.org/10.1016/S0169-4758\(97\)01163-0](https://doi.org/10.1016/S0169-4758(97)01163-0)
- 30) Delaye C., Aeschlimann A., Renaud F., Rosenthal B. and **De Meeûs T.** 1998. Isolation and characterisation of microsatellite markers in the *Ixodes ricinus* complex (Acari: Ixodidae). *Molecular Ecology* **7**: 360-361. https://t-de-meeus.fr/Publications/PRIMER_TICK98.PDF
- 31) Thomas F., Renaud F., **De Meeûs T.** and Poulin R. 1998. Manipulation of host behaviour by parasites: ecosystem engineering in the intertidal zone. *Proceedings of the Royal Society of London Series B* **265**: 1091-1096. <https://doi.org/10.1098/rspb.1998.0403>
- 32) Thomas F., Poulin R. **De Meeûs T.**, Guégan J.F. and Renaud F. 1999. Parasites and ecosystem engineering: what roles could they play? *Oikos* **84**: 167-171. <https://doi.org/10.2307/3546879>
- 33) Škalamera J.P., Renaud F., Raymond M. and **De Meeûs T.** 1999. No evidence for genetic differentiation of the mussel *Mytilus galloprovincialis* between lagoons and the seaside. *Marine Ecology Progress Series* **178**: 251-258. <http://dx.doi.org/10.3354/meps178251>

- 34) De Garine-Wichatitsky M., **De Meeûs T.**, Guegan JF and Renaud F. 1999. Spatial and temporal distribution of parasites: can wild and domestic ungulates avoid African tick larvae. *Parasitology* **119**: 455-466. <https://doi.org/10.1017/S0031182099005016>
- 35) Solano P., de la Rocque S., Cuisance D., Geoffroy B., **De Meeûs T.**, Cuny G. and Duvallet G. 1999. Intraspecific Variability in Natural Populations of *Glossina palpalis gambiensis* from West Africa revealed by genetic and morphometric analyses. *Medical and Veterinary Entomology* **13**: 401-407. <https://doi.org/10.1046/j.1365-2915.1999.00189.x>
- 36) Bertout S., Renaud F., **De Meeûs T.**, Piens M.A., Lebeau, B., Viviani M.A., Mallié M. and Bastide J.M. 2000. Multilocus enzyme electrophoresis analysis of *Aspergillus fumigatus* strains isolated from the first clinical sample from patients with invasive aspergillosis. *Journal of Medical Microbiology* **49**: 375-381. <https://doi.org/10.1099/0022-1317-49-4-375>
- 37) Thomas F., Teriokhin A., Renaud F., **De Meeûs T.** and Guégan J.F. 2000. Human longevity at the cost of reproductive success: evidence from global data. *Journal of Evolutionary Biology* **13**: 409-414. <https://doi.org/10.1046/j.1420-9101.2000.00190.x>
- 38) Šnabel V., **De Meeûs T.**, Varady M., Nansen P.; Bjorn H. and Corba J. 2000. The sexually linked Mpi locus is presumably involved in imidothiazole resistance in *Oesophagostomum dentatum* parasites. *Parasitology Research* **86**: 486-490. <https://doi.org/10.1007/s004360050698>
- 39) Solano P., de La Rocque S., **De Meeûs T.**, Cuny G., Duvallet G. and Cuisance D. 2000. Microsatellite DNA markers reveal genetic differentiation among populations of *Glossina palpalis gambiensis* collected in the agropastoral zone of Sideradougou, Burkina Faso. *Insect Molecular Biology* **9**: 433-439. <https://doi.org/10.1046/j.1365-2583.2000.00205.x>
- 40) Dawson L.H.J., Renaud F., Guégan J.F. and **De Meeûs T.** 2000. Experimental evidence of asymmetrical competition between two parasitic copepods. *Proceedings of the Royal Society of London Serie B.* **267**: 1973-1978. <https://doi.org/10.1098/rspb.2000.1238>
- 41) **De Meeûs T.** and Goudet J. 2000. Adaptive diversity in heterogeneous environments for populations regulated by a mixture of soft and hard selection. *Evolutionary Ecology Research* **8**: 981-995. https://www.researchgate.net/publication/228560533_Adaptive_diversity_in_heterogenous_envoronment_s_for_populations_regulated_by_a_mixture_of_soft_and_hard_selection
- 42) Arnaviehle S., **De Meeûs T.**, Blancart A., Mallié M., Renaud F. and Bastide J.M. 2000. Multicentric study of *Candida albicans* isolates from non-neutropenic patients: Population structure and mode of reproduction. *Mycoses* **43**: 109-117. <https://doi.org/10.1046/j.1439-0507.2000.00552.x>
- 43) Guégan J.F., Thomas F., **De Meeûs T.**, Lek S. and Renaud F. 2000. The macroepidemiology of parasitic and infectious diseases: a comparative study using artificial neuronal nets and logistic regressions In *Application of Artificial Neuronal Networks to Ecological Modelling* (Lek, S., and Guégan, J.F., eds.), pp 201-224, Springer Verlag, Berlin, Germany. https://horizon.documentation.ird.fr/exl-doc/pleins_textes/divers20-10/010022533.pdf
- 44) **De Meeûs T.** 2000. Adaptive diversity, specialisation, habitat preference and parasites. In *Evolutionary Biology of Host Parasite Relationships: Theory Meets Reality* (Poulin R., Morand S. and Skorping A. Eds), pp 27-42, Elsevier, Amsterdam. https://www.researchgate.net/publication/254967872_Adaptive_diversity_specialisation_habitat_preference_and_parasites
- 45) Thomas F., Renaud F., Benefice E., **de Meeûs T.** and Guégan J.F. 2001. International variability on ages at menarche and menopause: patterns and main determinants. *Human Biology* **73**: 271-290. <https://doi.org/10.1353/hub.2001.0029>
- 46) Guégan J.F., Thomas F., Hochberg M.E., **de Meeûs T.** and Renaud F. 2001. Human fertility and disease diversity. *Evolution* **55**: 1308-1314. <https://doi.org/10.1111/j.0014-3820.2001.tb00653.x>
- 47) Prugnolle F. and **de Meeûs T.** 2002. Inferring sex-biased dispersal from population genetic tools: a review. *Heredity*. **88**: 161-165. <https://doi.org/10.1038/sj.hdy.6800060>
- 48) Leclerc M. C., Durand P., **De Meeûs T.**, Robert V. and Renaud F. 2002. Genetic diversity and population structure of *Plasmodium falciparum* from Senegalense samples investigated by nineteen microsatellites and four genes coding for antigenic determinants. *Microbes and Infection* **4**, 685-692. [https://doi.org/10.1016/S1286-4579\(02\)01587-3](https://doi.org/10.1016/S1286-4579(02)01587-3)
- 49) Badoc C., **De Meeûs T.**, Bertout S., Odds F.C., Mallié M., and Bastide J-M. 2002. Clonality structure in *Candida dubliniensis*. *FEMS Microbiology Letters* **209**: 249-254. [https://doi.org/10.1016/S0378-1097\(02\)00515-3](https://doi.org/10.1016/S0378-1097(02)00515-3)
- 50) **De Meeûs T.**, Renaud F., Mouveroux E., Reynes J., Galeazzi G., Mallié M. and Bastide J.M. 2002. Genetic structure of *Candida glabrata* populations in AIDS and non-AIDS patients. *Journal of Clinical Microbiology* **40**: 2199-2206. <https://doi.org/10.1128/JCM.40.6.2199-2206.2002>
- 51) **De Meeûs T.** and Renaud F. 2002. Parasites within the new phylogeny of eukaryotes. *Trends in Parasitology* **18**: 247-251. [https://doi.org/10.1016/S1471-4922\(02\)02269-9](https://doi.org/10.1016/S1471-4922(02)02269-9)
- 52) Prugnolle F., **De Meeûs T.**, Durand P., Sire C. and Théron A. 2002. Sex Specific genetic structure in *Schistosoma mansoni*: evolutionary and epidemiological implications. *Molecular Ecology* **11**: 1231-1238. <https://doi.org/10.1046/j.1365-294x.2002.01518.x>

- 53) **De Meeûs T.**, Beati L., Delaye C., Aeschlimann A. and Renaud F. 2002. Sex biased genetic structure in the vector of Lyme disease, *Ixodes ricinus*. *Evolution* **56**: 1802–1807. <https://doi.org/10.1111/j.0014-3820.2002.tb00194.x>
- 54) Prugnolle F., Durand P., Théron A., Chevillon C. and **De Meeûs T.** 2003. Sex-specific genetic structure: new trends for dioecious parasites. *Trends in Parasitology* **19**: 171-174. [https://doi.org/10.1016/S1471-4922\(03\)00037-0](https://doi.org/10.1016/S1471-4922(03)00037-0)
- 55) Balloux F., Lehmann L. and **De Meeûs T.** 2003. The population genetics of clonal or partially clonal diploids. *Genetics* **164**: 1635-1644. <https://doi.org/10.1093/genetics/164.4.1635>
- 56) **De Meeûs T.**, Durand P. and Renaud F. 2003. Species concepts: what for? *Trends in Parasitology* **19**: 425-427. [https://doi.org/10.1016/S1471-4922\(03\)00195-8](https://doi.org/10.1016/S1471-4922(03)00195-8)
- 57) Prugnolle F., Théron A., Durand P. and De Meeûs T. 2004. Test of pangamy by genetic analysis of *Schistosoma mansoni* pairs within its natural murine host in Guadeloupe. *Journal of Parasitology* **90**: 507-509. <http://doi.org/10.1645/GE-150R>
- 58) **De Meeûs T.** 2004. Molecular epidemiology pitfalls: some important clarifications. *Trends in Parasitology* **20**: 57-58. <https://doi.org/10.1016/j.pt.2003.11.002>
- 59) Michaud M., **De Meeûs T.** and Renaud F. 2004. Environmental sex determination in a parasitic copepod species: checking heterogeneity and unpredictability of the environment. *Marine Ecology Progress Series* **269**: 163-171. <http://dx.doi.org/10.3354/meps269163>
- 60) **De Meeûs T.**, Lorimier Y. and Renaud F. 2004. Lyme borreliosis agents and the genetics and sex of their vector, *Ixodes ricinus*. *Microbes and Infection* **6**: 299-304. <https://doi.org/10.1016/j.micinf.2003.12.005>
- 61) **De Meeûs T.**, Durand P. and Renaud F. 2004. Response to Vilas and Paniagua: Analyzing the structure of biodiversity. *Trends in Parasitology* **20**: 258-259. <https://doi.org/10.1016/j.pt.2004.04.008>
- 62) **De Meeûs T.**, Humair P.F., Delaye C., Grunau C. and Renaud F. 2004. Non-Mendelian transmission of alleles at microsatellite loci: an example in *Ixodes ricinus*, the vector of Lyme disease. *International Journal for Parasitology* **34**: 943-950. <https://doi.org/10.1016/j.ijpara.2004.04.006>
- 63) **De Meeûs T.** and Balloux F. 2004. Clonal reproduction and linkage disequilibrium in diploids: a simulation study. *Infection, Genetics and Evolution* **4**: 345-351. <https://doi.org/10.1016/j.meegid.2004.05.002>
- 64) Prugnolle F., Choisy M., Théron A., Durand P. and **De Meeûs T.** 2004. Sex-specific correlation between heterozygosity and clone size in the trematode *Schistosoma mansoni*. *Molecular Ecology* **13**: 2859-2864. <https://doi.org/10.1111/j.1365-294x.2004.02273.x>
- 65) Renaud F., **De Meeûs T.** and Read A. F. 2005. Parasitism in man-made ecosystems. In *Parasitism and Ecosystems*. (Thomas F., Renaud F. & Guégan J.F., Eds), Oxford University Press. pp 155-170. <https://doi.org/10.1093/acprof:oso/9780198529873.003.0011>
- 66) Prugnolle F., Liu H., **De Meeûs T.** & Balloux F. 2005. Population genetics of complex life cycle parasites: an illustration with trematodes. *International Journal for Parasitology* **35**: 255-263. <https://doi.org/10.1016/j.ijpara.2004.10.027>
- 67) Prugnolle F., Théron A., Pointier J. P., Jabbour-Zahad R., Jarne P., Durand P. & **De Meeûs T.** 2005. Dispersal in a parasitic worm and its two hosts and its consequence for local adaptation. *Evolution* **59**: 296-303. <https://www.jstor.org/stable/i200306>
- 68) Prugnolle F., Roze D., Théron A. and **De Meeûs T.** 2005. F-statistics under alternation of sexual and asexual reproduction: a model and data from schistosomes. *Molecular Ecology* **14**: 1355-1365.
- 69) **De Meeûs T.** and Balloux F. 2005. F-statistics of clonal diploids structured in numerous demes. *Molecular Ecology* **14**: 2695-2702. <https://doi.org/10.1111/j.1365-294x.2005.02541.x>
- 70) Razakandrainibe F.G., Durand P., Koella J.C., **De Meeûs T.**, Rousset F., Ayala F.J. & Renaud F. 2005. "Clonal" population structure of the malaria agent *Plasmodium falciparum* in high-infection regions. *Proceedings of the National Academy of Sciences USA* **102**: 17388-17393. <https://doi.org/10.1073/pnas.0508871102>
- 71) **De Meeûs T.**, Lehmann L. & Balloux F. 2006. Molecular epidemiology of clonal diploids: a quick overview and a short DIY (Do It Yourself) notice. *Infection, Genetics and Evolution* **6**: 163-170. <https://doi.org/10.1016/j.meegid.2005.02.004>
- 72) Nébavi F., Ayala F.J., Renaud F., Bertout S., Eholié S., Koné M., Mallié M. and **de Meeûs T.** 2006. Clonal population structure and genetic diversity of *Candida albicans* in AIDS patients from Abidjan (Côte d'Ivoire). *Proceedings of the National Academy of Sciences USA* **103**: 3663-3668. <https://doi.org/10.1073/pnas.0511328103>
- 73) Chevillon C., Paul R.E., **de Meeûs T.** and Renaud F. 2006. Thinking Transgenic Vectors in a Population Context: Some Expectations and Many Open-Questions. In *Genetically Modified Mosquitoes for Malaria Control* (Boëte C. Ed.), Eurekah/Landes Biosciences, Georgetown TX, pp 117-136. https://www.researchgate.net/publication/242155601_Thinking_Transgenic_Vectors_in_a_Population_Context_Some_Expectations_and_Many_Open-Questions

- 74) Koffi B.B., Risterucci A.M., Joulia D., Durand P., Barré N., **de Meeûs T.** and Chevillon C. 2006. Characterization of polymorphic microsatellite loci within a young *Boophilus microplus* metapopulation. *Molecular Ecology Notes* **6**: 502-504. <https://doi.org/10.1111/j.1471-8286.2006.01295.x>
- 75) Thomas F. & **De Meeûs T.** 2006. Population variability in the beetle *Timarcha maritima* (Coleoptera, Chrysomelidae). *Acta Zoologica Sinica* **52**: 491-497. <https://doi.org/10.1046/j.1420-9101.1999.00042.x>
- 76) Prugnolle F., **De Meeûs T.**, Pointier J.P., Durand P., Rognon A. & Théron A. 2006. Geographical variations in infectivity and susceptibility in the host-parasite system *Schistosoma mansoni* / *Biomphalaria glabrata*: no evidence for local adaptation. *Parasitology* **133**: 313-319. <https://doi.org/10.1017/s0031182006000412>
- 77) Caillaud D., Prugnolle F., Durand P., Théron A. & **De Meeûs T.** 2006. Host sex and parasite genetic diversity. *Microbes and Infection* **8**: 2477-2483. <https://doi.org/10.1016/j.micinf.2006.06.003>
- 78) Camara, M., Harling Caro-Riaño H., Ravel S., Dujardin J.-P., Hervouet J.-P., **de Meeûs T.**, Kagbadouno M. S., Bouyer J. and Solano P. 2006. Genetic and morphometric evidence for isolation of a tsetse (Diptera: Glossinidae) population (Loos islands, Guinea). *Journal of Medical Entomology* **43**: 853-860. [https://doi.org/10.1603/0022-2585\(2006\)43\[853:gamefp\]2.0.co;2](https://doi.org/10.1603/0022-2585(2006)43[853:gamefp]2.0.co;2)
- 79) Koffi B.B., **de Meeûs T.**, Barré N., Durand P., Arnathau C., Chevillon C. 2006. Founder effects, inbreeding and effective sizes in the Southern cattle tick: the effect of transmission dynamics and implications for pest management. *Molecular Ecology* **15**: 4603-4611.
- 80) Ravel S., **de Meeûs T.**, Dujardin J.P., Zézé D.G., Gooding R.H., Dusfour I., Sané B., Cuny G. & Solano P. 2007. The tsetse fly *Glossina palpalis palpalis* is composed of several genetically differentiated small populations in the sleeping sickness focus of Bonon, Côte d'Ivoire. *Infection Genetics and Evolution* **7**: 116-125. <https://doi.org/10.1016/j.meegid.2006.07.002>
- 81) Chevillon C., Koffi B.B., Barré N., Durand P., Arnathau C. & **De Meeûs T.** 2007. Direct and indirect inferences on parasite mating and gene transmission patterns. Pangamy in the cattle tick *Rhipicephalus (Boophilus) microplus*. *Infection Genetics and Evolution* **7**: 298-304. <https://doi.org/10.1016/j.meegid.2006.11.007>
- 82) **De Meeûs T.**, McCoy K.D., Prugnolle F., Chevillon C., Durand P., Hurtrez-Boussès S. & Renaud F. 2007. Population genetics and molecular epidemiology or how to "débusher la bête". *Infection Genetics and Evolution* **7**: 308-332. <https://doi.org/10.1016/j.meegid.2006.07.003>
- 83) **De Meeûs T.**, Agnew P. & Prugnolle F. 2007. Asexual Reproduction: Genetics and Evolutionary Aspects. *Cellular and Molecular Life Sciences* **64**, 1355-13752. <https://doi.org/10.1007/s00018-007-6515-2>
- 84) Chevillon C., Ducornez S., **de Meeûs T.**, Koffi B.B., Gaïa H., Delathière J.M. & Barré N. 2007. Accumulation of acaricide resistance genes in *Rhipicephalus microplus* (Acari: Ixodidae) populations from New Caledonia Island. *Veterinary Parasitology* **147**: 276-288. <https://doi.org/10.1016/j.vetpar.2007.05.003>
- 85) Teriokhin A.T., **De Meeûs T.** & Guégan J.F. 2007. On the power of some binomial modifications of the Bonferroni multiple test. *Zhurnal Obshchei Biologii (Journal of General Biology)* **68**: 332-340. https://www.researchgate.net/publication/5808469_On_the_power_of_some_binomial_modifications_of_the_Bonferroni_multiple_test
- 86) Bouyer J., Ravel S., Vial L., Thévenon S., Dujardin J.-P., **de Meeûs T.**, Guerrini L., Sidibé I., Solano P. 2007. Population structuring of *Glossina palpalis gambiensis* (Diptera: Glossinidae) according to landscape fragmentation in the Mouhoun river, Burkina Faso. *Journal of Medical Entomology* **44**: 788-795. [https://doi.org/10.1603/0022-2585\(2007\)44\[788:psogpg\]2.0.co;2](https://doi.org/10.1603/0022-2585(2007)44[788:psogpg]2.0.co;2)
- 87) **De Meeûs T.** & Goudet J. 2007. A step by step tutorial to use HierFstat to analyse populations hierarchically structured at multiple levels. *Infection Genetics and Evolution* **7**: 731-735. <https://doi.org/10.1016/j.meegid.2007.07.005>
- 88) Koffi M., Solano P., Barnabé C., **De Meeûs T.**, Bucheton B., Cuny G. & Jamonneau, V. 2007. Genetic characterisation of *Trypanosoma brucei* ssp by microsatellite typing: new perspectives for the molecular epidemiology of human African trypanosomiasis. *Infection Genetics and Evolution* **7**: 675-684. <https://doi.org/10.1016/j.meegid.2007.07.001>
- 89) Dib L., Bitam I., Tahri M., Bensouilah M., **De Meeûs T.** 2008. Competitive exclusion between piroplasmosis and anaplasmosis agents within cattle. *PLoS Pathogens* **4**: 2-5. <https://doi.org/10.1371/journal.ppat.0040007>
- 90) Rougeron V., Waleckx E., Hide M., **De Meeûs T.**, Arevalo J., Llanos-Cuentas A., Bañuls A.L. 2008. A set of 12 microsatellite loci for genetic studies of *Leishmania braziliensis*. *Molecular Ecology Resources* **8**: 351-353. <https://doi.org/10.1111/j.1471-8286.2007.01953.x>
- 91) Prugnolle F., Durand P., Jacob K., Razakandrainibe F., Arnathau C., Villareal D., Rousset F., **de Meeûs T.**, Renaud F. 2008. A comparison of *Anopheles gambiae* and *Plasmodium falciparum* genetic structure over space and time. *Microbes and Infection* **10**: 269-275. <https://doi.org/10.1016/j.micinf.2007.12.021>
- 92) Prugnolle F., Choisy M., **De Meeûs T.** 2008. CLONALITY V 0.4: a randomisation-based program to test for heterozygosity-genet size relationships in clonal organisms. *Molecular Ecology Resources* **8**: 954-956. <https://doi.org/10.1111/j.1755-0998.2008.02104.x>

- 93) Prugnolle, F. & **De Meeûs, T.** 2008. The impact of clonality on parasite population genetic structure. *Parasite* **15**: 455-457. <https://doi.org/10.1051/parasite/2008153p455>
- 94) Koffi M.*, **De Meeûs T.***, Bucheton B., Solano P., Camara M., Kaba D., Cuny G., Ayala F.J. & Jamonneau V. 2009. Population genetics of *Trypanosoma brucei gambiense*, the agent of sleeping sickness in Western Africa. *Proceedings of the National Academy of Sciences USA* **106**: 206-214. <https://doi.org/10.1073/pnas.0811080106>
- 95) **De Meeûs T.** & McCoy K. 2009. La génétique des populations comme outil en épidémiologie. In *Introduction à l'Epidémiologie Intégrative des Maladies Infectieuses et Parasitaires* (Guégan J.F. & Choisy M. Eds.), De Boek Université, Bruxelles, pp 277-310. https://horizon.documentation.ird.fr/exl-doc/pleins_textes/divers20-06/010046866.pdf
- 96) Brisse S., Pannier C., Angoulvant A., **De Meeûs T.**, Diancourt L., Faure O., Muller H., Peman J., Viviani A. M., Grillot R., Dujon B., Fairhead C. & Hennequin C. 2009. Uneven distribution of mating types among genotypes of *Candida glabrata* from clinical samples. *Eukaryotic Cell* **8**: 287-295. <https://doi.org/10.1128/ec.00215-08>
- 97) Kempf F., **De Meeûs T.**, Arnathau C., Degeilh B. and McCoy K.D. 2009. Assortative Pairing in *Ixodes ricinus* L. (Acari:Ixodidae), the European Vector of Lyme Borreliosis. *Journal of Medical Entomology* **46**: 471-474. <https://doi.org/10.1603/033.046.0309>
- 98) Solano P., Ravel S., Bouyer J., Camara M., Kagbadouno M.S. Dyer, N., Gardes L., Herault D., Donnelly M.J. & **De Meeûs T.** 2009. The population structure of *Glossina palpalis gambiensis* from island and continental locations in coastal Guinea. *PLoS Neglected Tropical Diseases* **3**: e392. <https://doi.org/10.1371/journal.pntd.0000392>
- 99) Bouyer J., Balenghien T., Ravel S., Vial L., Sidibé I., Thévenon S., Solano P. & **De Meeûs T.** 2009. Population sizes and dispersal pattern of tsetse flies: rolling on the river? *Molecular Ecology* **18**: 2787-2797. <https://doi.org/10.1111/j.1365-294x.2009.04233.x>
- 100) Rougeron V., **De Meeûs T.**, Hide M., Waleckx E., Bermudez H., Arevalo A., Llanos-Cuentas A., Dujardin J. C., De Doncker S., Le Ray D., Ayala F. J., Bañuls A. L. 2009. Extreme inbreeding in *Leishmania braziliensis*. *Proceedings of the National Academy of Sciences USA* **106**: 10224-10229. <https://doi.org/10.1073/pnas.0904420106>
- 101) Kempf F., Bouludier T., **De Meeûs T.**, Arnathau C. and McCoy K.D. 2009. Recent evolution of host-associated divergence in the seabird tick *Ixodes uriae*. *Molecular Ecology* **18**: 4450-4462. <https://doi.org/10.1111/j.1365-294x.2009.04356.x>
- 102) de Garine-Wichatitsky M.*, **De Meeûs T.***, Chevillon C., Berthier D., Barré N., Thévenon S. and Maillard J.C. 2009. Population genetic structure of wild and farmed rusa deer (*Cervus timorensis rusa*) in New-Caledonia inferred from polymorphic microsatellite loci. *Genetica* **137**: 313-323. <https://doi.org/10.1007/s10709-009-9395-6>
- 103) **De Meeûs T.**, Guégan J.F., Teriokhin A.T. 2009. MultiTest V.1.2, a program to binomially combine independent tests and performance comparison with other related methods on proportional data. *BMC Bioinformatics* **10**: 443. <https://doi.org/10.1186/1471-2105-10-443>
- 104) **De Meeûs T., Prugnolle F. & Agnew P.** 2009. **Asexual reproduction in infectious diseases.** In *Lost Sex: The Evolutionary Biology of Parthenogenesis* (Schön I., Martens K. & van Dijk P. Eds.), Springer, NY, pp 517-533. https://www.researchgate.net/publication/390849868_De_Meeus_T_Prugnolle_F_Agnew_P_2009_Asexual_reproduction_in_infectious_diseases_In_Lost_SexThe_Evolutionary_Biology_of_Parthenogenesis_Schon_I_Martens_K_van_Dijk_P_Eds_Springer_NY_pp_517-533
- 105) Simo G., Njiokou F., Tume C., Lueong S., **De Meeûs T.**, Cuny G. & Asonganyi T. 2010. Population genetic structure of Central African *Trypanosoma brucei gambiense* isolates using microsatellite DNA markers. *Infection Genetics and Evolution* **10**: 68-76. <https://doi.org/10.1016/j.meegid.2009.09.019>
- 106) Holzmüller P., Herder S., Cuny G. & **De Meeûs T.** 2010. From clonal to sexual: a step in *T. congolense* evolution? *Trends in Parasitology* **26**: 56-60. From clonal to sexual: a step in *T. congolense* evolution?
- 107) Prugnolle F. & **De Meeus T.** 2010. Apparent high recombination rates in clonal parasitic organisms due to inappropriate sampling design. *Heredity* **104**: 135-140. <https://doi.org/10.1038/hdy.2009.128>
- 108) Hurtrez-Boussès S., Hurtrez J-E., Turpin H., Durand C., Durand P., **De Meeûs T.**, Meunier C. & Renaud F. 2010. Hydrographic network structure and population genetic differentiation in the vector of fasciolosis, *Galba truncatula*. *Infection Genetics and Evolution* **10**: 178-183. <https://doi.org/10.1016/j.meegid.2010.01.005>
- 109) Bouyer J., Ravel S., Guerrini L., Dujardin J.P., Sidibé I., Vreysen M.J.B., Solano P. & **De Meeûs T.** 2010. Population structure of *Glossina palpalis gambiensis* (Diptera: Glossinidae) between river basins in Burkina-Faso: consequences for area-wide integrated pest management. *Infection Genetics and Evolution* **10**: 321-328. <https://doi.org/10.1016/j.meegid.2009.12.009>

- 110) **De Meeûs T.**, Koffi B.B., Barré N., de Garine-Wichatitsky M., Ducornez S. & Chevillon C. 2010. Encadré 1.5 – Différenciation d'une population envahissante de tiques en deux populations, selon l'hôte (bovin ou cervidé sauvage). In *Les Invasions Biologiques, une Question de Natures et de Sociétés*, Barbault B. & Atramentowicz M. Eds., Edition Quae, Versailles, pp 33-34.
https://www.researchgate.net/publication/390853321_DeMeeusetalBoophilusInvabioBouquin
- 111) Solano P., Ravel S. & **De Meeûs T.** 2010. How can tsetse population genetics contribute to African trypanosomiasis control? *Trends in Parasitology* **26**: 255-263. <https://doi.org/10.1016/j.pt.2010.02.006>
- 112) Kone N., **De Meeûs T.**, Bouyer J., Ravel S., Guerrini L., N'Goran E. K. & Vial L. 2010. Population structuring of the tsetse *Glossina tachinoides* resulting from landscape fragmentation in the Mouhoun River Basin, Burkina Faso. *Medical and Veterinary Entomology* **24**: 162-168.
<https://doi.org/10.1111/j.1365-2915.2010.00857.x>
- 113) Solano P., Kaba D., Ravel S., Dyer N.A., Sall B., Vreysen M.J.B., Seck M.T., Darbyshir H., Gardes L., Donnelly M.J., **De Meeûs T.** & Bouyer J. 2010. Population genetics as a tool to select tsetse control strategies: suppression or eradication of *Glossina palpalis gambiensis* in the Niayes of Senegal. *PLoS Neglected Tropical Diseases* **4**: e69. <https://doi.org/10.1371/journal.pntd.0000692>
- 114) **De Meeûs T.** 2010. Le parasitisme: une réussite évolutive. In *Biologie Evolutive*, chapitre Evolution des interactions entre espèces, F. Thomas, T. Lefèvre & M. Raymond eds. DE BOECK, Bruxelles, pp 579-580. https://www.researchgate.net/publication/390857671_DeMeeus2010IntroBookEvol
- 115) Rougeron V., **De Meeûs T.**, Kako S., Hide M. & Bañuls A.L. 2010. "Everything you always wanted to know about sex (but were afraid to ask)" in *Leishmania* after two decades of laboratory and field analyses. *PLoS Pathogens* **6**: e1001004. <https://doi.org/10.1371/journal.ppat.1001004>
- 116) Rougeron V., **De Meeûs T.**, Hide M., Waleckx E., Dereure J., Arevalo, J., Llanos-Cuentas A. & Bañuls A. L. 2010. A battery of 12 microsatellite markers for genetic analysis of the *Leishmania (Viannia) guyanensis* complex. *Parasitology* **7**: 1-6. <https://doi.org/10.1017/s0031182010000776>
- 117) **De Meeûs T.**, Koffi B.B., Barré N., de Garine-Wichatitsky M. & Chevillon C. 2010. Swift sympatric adaptation of a species of cattle tick to a new deer host in New-Caledonia. *Infection Genetics and Evolution* **10**: 976-983. <https://doi.org/10.1016/j.meegid.2010.06.005>
- 118) Kempf F., McCoy K.D. & **De Meeus T.** 2010. Wahlund effects and sex-biased dispersal in *Ixodes ricinus*, the European vector of Lyme borreliosis: new tools for old data. *Infection Genetics and Evolution* **10**: 989-997. <https://doi.org/10.1016/j.meegid.2010.06.003>
- 119) Djuikwo-Teukeng F.F., Njiokou F., Nkengazong L., **De Meeûs T.**, Same Ekobo A. & Dreyfuss G. 2011. Strong genetic structure in Cameroonian populations of *Bulinus truncatus* (Gastropoda: Planorbidae), intermediate host of *Schistosoma haematobium*. *Infection Genetics and Evolution* **11**: 17-22.
<https://doi.org/10.1016/j.meegid.2010.10.018>
- 120) **De Meeûs T.** & Prugnolle F. 2011. Clonal evolution. In *Genetics and Evolution of Infectious Diseases* (Tibayrenc M. Ed.), Elsevier, Amsterdam, pp 133-146. <https://doi.org/10.1016/B978-0-12-799942-5.00005-6>
- 121) Kaboré J., MacLeod A., Jamonneau V., Ilboudo H., Duffy C., Camara M., Camara O., Belem A. M. G., Bucheton B. & **De Meeûs T.** 2011. Population genetic structure of Guinea *Trypanosoma brucei gambiense* isolates according to host factors. *Infection Genetics and Evolution* **11**: 1129-1135.
<https://doi.org/10.1016/j.meegid.2011.04.011>
- 122) Salim B., **De Meeûs T.**, Bakheit M. A., Kamau J., Nakamura I., Sugimoto C. 2011. Population genetics of *Trypanosoma evansi* from Camel in Sudan. *PLoS Neglected Tropical Diseases* **5**: e1196.
<https://doi.org/10.1371/journal.pntd.0001196>
- 123) Koné N., Bouyer J., Ravel S., Vreysen M.J.B., Domagni K.T., Causse S., Solano P., **De Meeûs T.** 2011. Contrasting population structures of two vectors of African trypanosomoses in Burkina Faso: consequences for control. *PLoS Neglected Tropical Diseases* **5** (6): e1217.
<https://doi.org/10.1371/journal.pntd.0001217>
- 124) Kaboré J., Koffi M., Bucheton B., MacLeod A., Duffy C., Ilboudo H., Camara M., **De Meeûs T.**, Belem A. M. G. & Jamonneau V. 2011. First evidence that parasite infecting apparent aparasitemic serological suspects in human African trypanosomiasis are *Trypanosoma brucei gambiense* and are similar to those found in patients. *Infection Genetics and Evolution* **11**: 1250-1255.
<https://doi.org/10.1016/j.meegid.2011.04.014>
- 125) Rougeron V., Catzeffis F., Hide M., **De Meeûs T.**, Bañuls A. L. 2011. First clinical case of cutaneous leishmaniasis due to *Leishmania (Viannia) braziliensis* in a domestic cat from French Guiana. *Veterinary Parasitology* **181**: 325-328. <https://doi.org/10.1016/j.vetpar.2011.04.028>
- 126) Rougeron V., Bañuls A.-L., Carme B., Simon S., Coupié P., Nacher M., Hide M., **De Meeûs T.** 2011. Reproductive strategies and population structure in *Leishmania*: substantial amount of sex in *Leishmania Viannia guyanensis*. *Molecular Ecology* **20**: 3116–3127. <https://doi.org/10.1111/j.1365-294x.2011.05162.x>
- 127) Tanekou T.T.M., Simo G., Ravel S., **De Meeûs T.**, Causse S., Solano P., Lutumba P., Asonganyi T., Njiokou F. 2011. Population genetics of *Glossina palpalis palpalis* from central African sleeping sickness foci. *Parasites and Vectors* **4**: 140. <https://doi.org/10.1186/1756-3305-4-140>

- 128) Barnabé C., **De Meeûs T.**, Noireau F., Bosseno M.F., Monje E.M., Renaud F. and Brenière S. F. 2011. *Trypanosoma cruzi* Discrete Typing Units (DTUs): microsatellite loci and population genetics of DTUs TcV and TcI in Bolivia and Peru. *Infection Genetics and Evolution* **11**: 1752–1760. <https://doi.org/10.1016/j.meegid.2011.07.011>
- 129) Kempf F.*, **De Meeûs T.***, Vaumourin E., Noel V., Taragel'ová V., Plantard O., Heylen D.J.A., Eyraud C., Chevillon C. and McCoy K.D. 2011. Host races in *Ixodes ricinus*, the European vector of Lyme borreliosis. *Infection Genetics and Evolution* **11**: 2043-2048. <https://doi.org/10.1016/j.meegid.2011.09.016>
- 130) Rougeron V.*, **De Meeûs T.***, Hide M., Le Falher G., Bucheton B., Dereure J., El-Safi S.H., Dessein A., Bañuls A.L. 2011. Multifaceted population structure and reproductive strategy in *Leishmania donovani* complex in one Sudanese village. *PLoS Neglected Tropical Diseases* **5**: e1448. <https://doi.org/10.1371/journal.pntd.0001448>
- 131) Chevillon C., **De Meeûs T.** and McCoy K.D. 2012. Population genetics and molecular epidemiology of infectious diseases. In *New frontiers of Molecular Epidemiology of Infectious Diseases* (Morand S., Beaudreau F. and Cabaret J. Eds.), Springer, Dordrecht, pp 45-76. https://doi.org/10.1007/978-94-007-2114-2_4
- 132) **De Meeûs T.**, Ravel S., Rayaisse J.-B., Courtin F. and Solano P. 2012. Understanding local population genetics of tsetse: the case of an isolated population of *Glossina palpalis gambiensis* in Burkina-Faso. *Infection Genetics and Evolution* **12**: 1229-1234. <https://doi.org/10.1016/j.meegid.2012.04.005>
- 133) Kagbadouno M.S. Camara M., Rouamba J., Rayaisse J.B., Traoré I.S., Camara O., Onikoyamou M.F., Courtin F., Ravel S., **De Meeûs T.**, Bucheton B., Jamonneau V. and Solano P. 2012. Epidemiology of sleeping sickness in boffa (Guinea): where are the trypanosomes? *PLoS Neglected Tropical Diseases* **6**: e1949. <https://doi.org/10.1371/journal.pntd.0001949>
- 134) **De Meeûs T.** 2012. Génétique des populations et système de reproduction des Plasmodiums humains : conséquences sur les capacités d'adaptation. http://www.mpl.ird.fr/suds-en-ligne/paludisme/systemes/gen_plasmodium01.html, In dossiers thématiques "Suds en ligne" "Vaincre le paludisme" 2012; Conseillers scientifiques: Didier Fontenille et Philippe Deloron; Coordination générale: Catherine Fontaine.
- 135) Guégan J.F., Thomas F. et **De Meeûs T.** 2012. Correspondances à quatre: Années 1999-2009. In *Mathematics and Reality: the Confrontation of Rigor and Complexity: The Articles, Memories of A.T. Teriokhin*, Budilova E.V. Ed., Lomonosov Moscow State University, Faculty of Biology, Editions Soliton, Moscow, pp 518-523. https://www.researchgate.net/publication/390869380_Correspondances_a_quatre_Annees_1999-2009
- 136) **De Meeûs T.** and Guégan J.F. 2012. Birth of ideas and on the remarkable person and research scientist Anatoly Terekhin: mathematics, reality and the confrontation of rigor and complexity for combining probabilities. In *Mathematics and Reality: the Confrontation of Rigor and Complexity: The Articles, Memories of A.T. Teriokhin*, Budilova E.V. Ed., Lomonosov Moscow State University, Faculty of Biology, Editions Soliton, Moscow, pp 505-511. https://www.researchgate.net/publication/390871137_Birth_of_ideas_and_on_the_remarkable_person_and_research_scientist_Anatoly_Terekhin_mathematics_reality_and_the_confrontation_of_rigor_and_complexity_for_combining_probabilities
- 137) Chevillon C., de Garine-Wichatitsky M., Barré N., Ducornez S. and **de Meeûs T.** 2013. Understanding the genetic, demographical and/or ecological processes at play in invasions: lessons from the southern cattle tick *Rhipicephalus microplus* (Acari: Ixodidae). *Experimental and Applied Acarology* **59**: 203–218. <https://doi.org/10.1007/s10493-012-9602-5>
- 138) Pooda S.H., Mouline K., **De Meeûs T.**, Bengaly Z. and Solano, P. 2013. Decrease in survival and fecundity of *Glossina palpalis gambiensis* Vanderplank 1949 (Diptera: Glossinidae) fed on cattle treated with single doses of ivermectin. *Parasites and Vectors* **6**: 165. <https://doi.org/10.1186/1756-3305-6-165>
- 139) Ravel S., Rayaisse J.B., Courtin F., Solano P. and **De Meeûs T.** 2013. Genetic signature of a recent southern range shift in *Glossina tachinoides* in East Burkina Faso. *Infection Genetics and Evolution* **18**: 309-314. <https://doi.org/10.1016/j.meegid.2013.05.024>
- 140) Kaboré J., **De Meeûs T.**, MacLeod A., Ilboudo H., Capewell P., Camarad M., Beleme A. M. G., Bucheton B. and Jamonneau V. 2013. A protocol to improve genotyping of problematic microsatellite loci of *Trypanosoma brucei gambiense* from body fluids. *Infection Genetics and Evolution* **20**: 171-176.
- 141) **De Meeûs T.** 2014. Statistical decision from *k* test series with particular focus on population genetics tools: a DIY notice. *Infection Genetics and Evolution* **22**: 91-93. <https://doi.org/10.1016/j.meegid.2013.08.006>
- 142) **De Meeûs T.**, Ravel S., Rayaisse J.B., Kaba D., Courtin F., Bouyer J., Dayo G.K., Camara M., Solano P. 2014. Genetic correlations within and between isolated tsetse populations: what can we learn? *Acta Tropica* **138S**: S6-S11. <https://doi.org/10.1016/j.actatropica.2014.03.004>
- 143) Adam Y., Bouyer J., Dayo G.K., Mahama C.I., Vreysen M.J.B., Cecchi G., Abd-Alla A. M. M., Solano P., Ravel S., **de Meeûs T.** 2014. Genetic comparison of *Glossina tachinoides* populations in three river

- basins of the upper west region of Ghana and implications for tsetse control. *Infection Genetics and Evolution* **28**: 588-595. <https://doi.org/10.1016/j.meegid.2014.03.023>
- 144) Séré M., Kaboré, J., Jamonneau V., Belem A.M.G., Ayala F.J., **De Meeûs T.** 2014. Null allele, allelic dropouts or rare sex detection in clonal organisms: simulations and application to real data sets of pathogenic microbes. *Parasites & Vectors* **7**: 331. <https://doi.org/10.1186/1756-3305-7-331>
- 145) Pyana P.P., Sere M., Kaboré J., **De Meeûs T.**, MacLeod A., Bucheton B., Van Reet N., Büscher P., Belem A.M.G., Jamonneau V. 2015. Population genetics of *Trypanosoma brucei gambiense* in sleeping sickness patients with treatment failures in the focus of Mbuji-Mayi, Democratic Republic of the Congo. *Infection Genetics and Evolution* **30**: 128-133. <https://doi.org/10.1016/j.meegid.2014.12.017>
- 146) Rougeron V.*, **De Meeûs T.***, Bañuls A-L. 2015. A primer for *Leishmania* population genetic studies. *Trends in Parasitology* **31**: 52-59. <https://doi.org/10.1016/j.pt.2014.12.001>
- 147) **De Meeûs T.**, Bouyer J., Ravel, S., Solano, P. 2015. Ecotype evolution in *Glossina palpalis* subspecies, major vectors of sleeping sickness. *PLoS Neglected Tropical Diseases* **9**: e0003497. <https://doi.org/10.1371/journal.pntd.0003497>
- 148) Mélachio Tanekou Tito Trésor, Njiokou Flobert, Ravel Sophie, Simo Gustave, Solano Philippe, **De Meeûs Thierry**. 2015. Effect of sampling methods, effective population size and migration rate estimation in *Glossina palpalis palpalis* from Cameroon. *Infection Genetics and Evolution* **35**: 150-157. <https://doi.org/10.1016/j.meegid.2015.04.023>
- 149) **De Meeûs Thierry**. 2015. Genetic identities and local inbreeding in pure diploid clones with homoplasic markers: SNPs may be misleading. *Infection Genetics and Evolution* **33**: 227-232. <https://doi.org/10.1016/j.meegid.2015.05.008>
- 150) Rougeron Virginie*, **De Meeûs Thierry***, Bañuls Anne-Laure. 2015. Response to Tibayrenc et al.: can recombination in *Leishmania* parasites be so rare? *Trends in Parasitology* **31**: 280-281. <https://doi.org/10.1016/j.pt.2015.05.006>
- 151) Koffi Mathurin*, **De Meeûs Thierry***, Séré Modou, Bucheton Bruno, Simo Gustave, Njiokou Flobert, Salim Bashir, Kaboré Jacques, MacLeod Annette, Camara Mamadou, Solano Philippe, Belem Adrien Marie Gaston and Jamonneau Vincent. 2015. Population genetics and reproductive strategies of African trypanosomes: revisiting available published data. *PLoS Neglected Tropical Diseases* **9**: e0003985. <https://doi.org/10.1371/journal.pntd.0003985>
- 152) Bouyer Jérémy, Dicko Ahmadou H., Cecchi Giuliano, Ravel Sophie, Guerrini Laure, Solano Philippe, Vreysen Marc J.B., **De Meeûs Thierry** and Lancelot Renaud. 2015. Mapping landscape friction to locate isolated tsetse populations candidate for elimination. *Proceedings of the National Academy of Sciences USA* **112**: 14575–14580. <https://doi.org/10.1073/pnas.1516778112>
- 153) Weir William, Capewell Paul, Foth Bernardo, Clucas Caroline, Pountain Andrew, Steketee Pieter, Veitch Nicola, Koffi Mathurin, **De Meeûs Thierry**, Kaboré Jacques, Camara Mamadou, Cooper Anneli, Tait Andy, Jamonneau Vincent, Bucheton Bruno, Berriman Matthew and MacLeod Annette. 2016. Population genomics reveals the origin and asexual evolution of human infective trypanosomes. *eLife* **5**: e11473. <https://doi.org/10.7554/eLife.11473>
- 154) Sandeu Maurice M., Abate Luc, Tchioffo Majoline T., Bayibéki Albert N., Awono-Ambéné Parfait H., Nsango Sandrine E., Chesnais Cédric B., Dinglasane Rhoel R., **De Meeûs Thierry** and Morlais Isabelle. 2016. Impact of exposure to mosquito transmission-blocking antibodies on *Plasmodium falciparum* population genetic structure. *Infection Genetics and Evolution* **45**: 138-144. <https://doi.org/10.1016/j.meegid.2016.08.025>
- 155) Rougeron V., **De Meeûs T.**, Bañuls A.L. 2017. Reproduction in *Leishmania*: a focus on genetic exchange. *Infection Genetics and Evolution* **50**: 128-132. <https://doi.org/10.1016/j.meegid.2016.10.013>
- 156) Séré M., Thévenon S., Belem A.M.G. and **De Meeûs T.** 2017. Comparison of different genetic distances to test isolation by distance between populations. *Heredity* **119**: 55-63. <https://doi.org/10.1038/hdy.2017.26>
- 157) Correa, Ana C.*, **De Meeûs Thierry***, Dreyfuss Gilles, Rondelaud Daniel and Hurtrez-Boussès Sylvie. 2017. *Galba truncatula* and *Fasciola hepatica*: genetic costructures and interactions with intermediate host dispersal. *Infection Genetics and Evolution* **55**: 186-194. <https://doi.org/10.1016/j.meegid.2017.09.012>
- 158) N'Djetchi Martial Kassi, Ilboudo Hamidou, Koffi, Kaboré Jacques, Kaboré Justin Windingoudi, Kaba Dramane, Courtin Fabrice, Coulibaly Bamoro, Fauret Pierre, Kouakou Lingué, Ravel Sophie, Deborggraeve Stijn, Solano Philippe, **De Meeûs Thierry**, Bucheton Bruno, Jamonneau Vincent. 2017. The study of trypanosome species circulating in domestic animals in two human African trypanosomiasis foci of Côte d'Ivoire identifies pigs and cattle as potential reservoirs of *Trypanosoma brucei gambiense*. *PLoS Neglected Tropical Diseases* **11**(10): e0005993. <https://doi.org/10.1371/journal.pntd.0005993>.
- 159) **De Meeûs T.** 2018. Revisiting F_{IS} , F_{ST} , Wahlund effects and null alleles. *Journal of Heredity* **109**: 446-456. <https://doi.org/10.1093/jhered/esx106>

- 160) Tibayrenc M., **de Meeûs T.** and Morand S. 2018. Modern research tools to combat the infectious peril: just at the beginning. *Infection Genetics and Evolution* **63**: 291.
<https://doi.org/10.1016/j.meegid.2018.08.002>
- 161) Kaboré Jacques, Camara Oumou, Koffi Mathurin, Sanou Djénéba, Ilboudo Hamidou, Sakandé Hassane, Camara Mamadou, **De Meeûs Thierry**, Ravel Sophie, Belem Adrien Marie Gaston, MacLeod Annette, Bucheton Bruno, Jamonneau Vincent, Thévenon Sophie. 2018. Differences in pathogenicity and virulence of *Trypanosoma brucei gambiense* field isolates in experimentally infected Balb/C mice. *Infection Genetics and Evolution*. **63**: 269-276. <https://doi.org/10.1016/j.meegid.2018.05.018>
- 162) Manangwa Oliver*, **De Meeûs Thierry***, Grébaut Pascal, Ségard Adeline, Byamungu Mechtilda and Ravel Sophie. 2019. Detecting Wahlund effects together with amplification problems: Cryptic species, null alleles and short allele dominance in *Glossina pallidipes* populations from Tanzania. *Molecular Ecology Resources*. **19**: 757–772. <https://doi.org/10.1111/1755-0998.12989>
- 163) **De Meeûs T.**, Ravel, S., Solano P. and Bouyer J. 2019. Negative density dependent dispersal in tsetse flies: a risk for control campaigns? *Trends in Parasitology* **35** (8): 615-621.
<https://doi.org/10.1016/j.pt.2019.05.007>
- 164) Berté Djakaridja*, **De Meeus Thierry***, Kaba Dramane, Séré Modou, Djohan Vincent, Courtin Fabrice, N'Djetchi Kassi Martial, Koffi Mathurin, Jamonneau Vincent, Bi Tra Dieudonné Ta, Solano Philippe, N'Goran Eliezer Kouakou, Ravel Sophie. 2019. Population genetics of *Glossina palpalis palpalis* in sleeping sickness foci of Côte d'Ivoire before and after vector control. *Infection Genetics and Evolution*. **75**: 103963. <https://doi.org/10.1016/j.meegid.2019.103963>
- 165) **De Meeûs T.**, Ravel, S., Solano P. and Bouyer J. 2019. Response to J.S. Lord. *Trends in Parasitology* **35**: 742-743. <https://doi.org/10.1016/j.pt.2019.07.009>
- 166) Jamonneau, V., Truc, P., Grébaut, P., Herder, S., Ravel, S., Solano, P., **De Meeus, T.** 2019. *Trypanosoma brucei gambiense* group 2: the unusual suspect. *Trends in Parasitology*. **35** (12): 983-995. <https://doi.org/10.1016/j.pt.2019.09.002>
- 167) Prudhomme, J., **De Meeûs, T.**, Toty, C., Cassan, C., Rahola, N., Vergnes, B., Charrel, R., Alten, B., Sereno, D., Bañuls, A. L. 2020. Altitude and hillside orientation shapes the population structure of the *Leishmania infantum* vector *Phlebotomus ariasi*. *Scientific Reports* **10**: 1443.
<https://doi.org/10.1038/s41598-020-71319-w>
- 168) Elnour M.A.B, Moustafa, M.A.M., Khogali, R., Azrag, R.S., Alanazi, A.D., Kheir, A., Nakao, R., **de Meeûs, T.**, Salim, B. 2020. Distinct haplotypes and free movement of *Aedes aegypti* in Port Sudan, Sudan. *Journal of Applied Entomology*. **144**: 817–823. <https://doi.org/10.1111/jen.12816>
- 169) Ravel, S., Sere, M., Manangwa, O., Kagbadouno, M., Mahamat, M. H., Shereni, W., Okeyo, W. A., Argiles-Herrero, R., **De Meeûs, T.** 2020. Developing and quality testing of microsatellite loci for four species of *Glossina*. *Infection Genetics and Evolution*. **85**: 104515.
<https://doi.org/10.1016/j.meegid.2020.104515>
- 170) **Thierry De Meeûs**, CynthiaT.Chan, John M. Ludwig, Jean I. Tsao, Jaymin Patel, Jigar Bhagatwala, Lorenza Beati. 2021. Deceptive combined effects of short allele dominance and stuttering: an example with *Ixodes scapularis*, the main vector of Lyme disease in the U.S.A., *Peer Community Journal* **1**: e40.
<https://doi.org/10.24072/pcjournal.34>
- 171) Barkissa Mélika Traoré, Mathurin Koffi, Martial Kassi N'Djetchi, Dramane Kaba, Jacques Kaboré, Hamidou Ilboudo, Bernadin Ahouty Ahouty, Minayé gninrin Koné, Bamoro Coulibaly, Thomas Konan, Adeline Ségard, Lingué Kouakou, **Thierry De Meeûs**, Sophie Ravel, Philippe Solano, Jean-Mathieu Bart, Vincent Jamonneau. 2021. Free-ranging pigs identified as a multi-reservoir of *Trypanosoma brucei* and *Trypanosoma congolense* in the Vavoua area, a historical sleeping sickness focus of Côte d'Ivoire. *PLoS Neglected Tropical Diseases* **15**(12): e0010036. <https://doi.org/10.1371/journal.pntd.0010036>
- 172) **Thierry De Meeûs**, Camille Noûs. 2022. A simple procedure to detect, test for the presence of stuttering, and cure stuttered data with spreadsheet programs. *Peer Community Journal* **2**: e52.
<https://doi.org/10.24072/pcjournal.165>
- 173) Adeline Ségard, Audrey Romero, Sophie Ravel, Philippe Truc, Gauthier Dobigny, Philippe Gauthier, Jonas Etougbetche, Henri-Joel Dossou, Sylvestre Badou, Gualbert Houéménou, Serge Morand, Kittipong Chaisiri, Camille Noûs and **Thierry de Meeûs**. 2022. Development of nine microsatellite loci for *Trypanosoma lewisi*, a potential, human pathogen in Western Africa, and South-East Asia, and preliminary, population genetics analyses. *Peer Community Journal* **2**: e69.
<https://doi.org/10.24072/pcjournal.188>
- 174) Ravel, S., Mahamat, M.H., Ségard, A., Argiles-Herrero, R., Bouyer, J., Rayaisse, J.-B., Solano, P., Mollo, B.G., Pèka, M., Darnas, J., Belem, A.M.G., Yoni, W., Noûs, C., **De Meeûs, T.** 2023. Population genetics of *Glossina fuscipes fuscipes* from southern Chad. *Peer Community Journal*, **3**: e31.
<https://doi.org/10.24072/pcjournal.257>
- 175) Velez, R., **De Meeûs, T.**, Beati, L., Younsi, H., Zhioua, E., Antunes, S., Domingos, A., Ataíde Sampaio, D., Carpinteiro, D., Moerbeck, L., Estrada-Peña, A., Santos-Silva, M.M., Santos, A.S. 2023. Development and testing of microsatellite loci for the study of population genetics of *Ixodes ricinus*

- Linnaeus, 1758 and *Ixodes inopinatus* Estrada-Peña, Nava & Petney, 2014 (Acari: Ixodidae) in the western Mediterranean region. *Acarologia*, **63**: 356-372. <https://dx.doi.org/10.24349/bvem-4h49>
- 176) **De Meeûs, T.**, Noûs, C., 2023. A new and almost perfectly accurate approximation of the eigenvalue effective population size of a dioecious population: comparisons with other estimates and detailed proofs. *Peer Community Journal* **3**: e51. <https://doi.org/10.24072/pcjournal.280>
- 177) Gstötenmayer, F., Moyaba, P., Rodriguez, M., Mulandane, F.C., Mucache, H.N., Neves, L., De Beer, C., Ravel, S., **De Meeûs, T.**, Mach, R.L., Vreysen, M.J.B., Abd-Alla, A.M.M. 2023. Development and characterization of microsatellite markers for the tsetse species *Glossina brevipalpis* and preliminary population genetics analyses. *Parasite* **30**: 34. <https://doi.org/10.1051/parasite/2023038>
- 178) Konan, Y.J.R., Berté, D., Ta, B.T.D., Demoncheaux, J.P., Sauzet, S., Watier-Grillot, S., Kouadio, K.A.M., N'Dri, L., Coulibaly, B., Solano, P., Ravel, S., Ségard, A., Kaba, D., **De Meeûs, T.**, Djohan, V., Jamonneau, V. (2023) Tsetse fly ecology and risk of transmission of African trypanosomes related to a protected forest area at a military base in the city of Abidjan, Cote d'Ivoire. *Parasite*: **30**: 36. <https://doi.org/10.1051/parasite/2023037>
- 179) Kagbadouno M.S., Séré M., Ségard A., Camara A.D., Camara M., Bucheton B., Bart J.M., Courtin F., **De Meeûs T.***, Ravel S.* (2024) Population genetics of *Glossina palpalis gambiensis* in the sleeping sickness focus of Boffa (Guinea) before and after eight years of vector control: no effect of control despite a significant decrease of human exposure to the disease. *Peer Community Journal*, **4**, e21. <https://doi.org/10.24072/pcjournal.383>.
- 180) Ravel S, Ségard A, Guihini M-B, Argiles-Herrero R, Bouyer J, Rayaisse J-B, Solano P, Pèka M, Darnas J, Belem A-M-G, Yoni W, Noûs C, **De Meeûs T** (2024) Limited impact of vector control on the population genetic structure of *Glossina fuscipes fuscipes* from the sleeping sickness focus of Maro, Chad. *Parasite*, **31**, 13. <https://doi.org/10.1051/parasite/2024013>
- 181) Purificacion M, Shah RBM, **De Meeûs T**, Bakar SB, Savantil AB, Yusof MM, Amalin D, Nguyen H, Sulistyowati E, Budiman A, Ekayanti A, Niogret J, Ravel S, Vreysen MJB, Abd-Alla AMM (2024) Development and characterization of microsatellite markers for population genetics of the cocoa pod borer *Conopomorpha cramerella* (Snellen) (Lepidoptera: Gracillariidae) (J Zhou, Ed.). *PLoS One*, **19**, e0297662. <https://doi.org/10.1371/journal.pone.0297662>
- 182) Konan, Yao Jean Rodrigue, Ta, Bi Tra Dieudonné, Berté, Djakaridja, Coulibaly, Bamoro, Coulibaly, Kinifo Donatien, Egnankon, Nick Steven, Diarrassouba, Founigniguée, Djabo, Kouassi Albert, Watier-Grillot, Stéphanie, Demoncheaux, Jean-Paul, De Marie Kouadio, Koffi Alain, N'Dri, Louis, Solano, Philippe, Ravel, Sophie, Adingra, Guy Pacôme, Barreaux, Antoine, Ségard, Adeline, Kaba, Dramane, Jamonneau, Vincent*, **De Meeûs, Thierry***, Djohan, Vincent* (2025) Challenges and lessons from a vector control campaign targeting *Glossina palpalis palpalis* in an isolated protected forest area in Abidjan, Côte d'Ivoire. *Parasite*, **32**, 25. <https://doi.org/10.1051/parasite/2025017>
- 183) Dorsey, Bailee; de Meeûs, Thierry; Allerdice, Michelle E. J.; Paddock, Christopher D.; Nicholson, William L.; Ayres, Bryan N.; Wisely, Samantha M.; Noden, Bruce H. and Beati, Lorenza (2025) Microsatellite loci support recent speciation of *Amblyomma maculatum* s.l., Koch, 1944 (Acari: Ixodidae) morphotypes II and III. *Acarologia*, **65** (2), 519-533. <https://doi.org/10.24349/w6sh-ilur>
- 184) Brito DRA, Ségard A, Mulandane FC, Cossa NV, Mucache HN, Ravel S, De Meeûs T, Neves L (2025) Unravelling genetic differentiation between *Glossina brevipalpis* populations from two distant National Parks in Mozambique (BL Weiss, Ed.). *PLOS Neglected Tropical Diseases*, **19**, e0012953. <https://doi.org/10.1371/journal.pntd.0012953>

Recommendations (PCI)

- De Meeûs, T. (2024) Large and complete datasets, and modelling reveal the major determinants of physiological and behavioral insecticide resistance of malaria vectors. *Peer Community In Infections*, 100157. [10.24072/pci.infections.100157](https://doi.org/10.24072/pci.infections.100157).

Actes de Colloques

- Solano P., de la Rocque S., **De Meeûs T.**, Geoffroy B., Dumas V., Cuny G., Sidibé I., Cuisance D. and Duvallet G. 1998. Genetic differences in natural populations of *Glossina palpalis gambiensis* of West Africa revealed by microsatellite DNA polymorphism. *Acta Parasitologica Portuguesa* **5**: 23.
- De Meeûs T.** 2006. Les co-structures génétiques d'un parasite (*Schistosoma mansoni*) et de ses hôtes (mammifères et mollusques) dans la mangrove dulçaquicole de Guadeloupe: échelles spatiales, fonctionnelles et co-évolutives. In *Ecosystèmes Tropicaux, Actes du 2^{ème} Colloque de Restitution du Programme de Recherche, Paris, 7-8 Novembre 2006*, Ministère de l'Ecologie et du Développement Durable-ECOFOR, Paris.
- Rougeron V., **De Meeûs T.**, Hide M., Waleckx E., Arevalo J., Bermudez H., Llanos-Cuentas A., Dujardin J.C., Bañuls A.L. 2008. *Leishmania braziliensis* : population structure and reproductive mode. *Infection Genetics and Evolution* **8**: S10.

- De Meeûs T.**, Rougeron V., Bañuls A.-L. 2011. Fonctionnement des foyers de leishmanioses tel que révélé par analyses génétiques. In : *Colloque bilan des projets financés dans le cadre du programme SEST 2006*. Paris : ANR, 2011, 13 p. Colloque Santé-Environnement Santé-Travail, Paris (FRA), 2011/01/20-21.
- Koffi M., **De Meeûs T.**, Bucheton B., Solano P., Camara M., Kaba D., Cuny G., Ayala F.J., and Jamonneau V. 2011. Population genetics of *Trypanosoma brucei gambiense*: a clone in the dark. In *Proceedings 30th biennial conference of the International Scientific Council for Trypanosomiasis Research and Control (ISCTRC)*, Kampala, Uganda 2009, AU-IBAR, Nairobi, Kenya. **125**: 137-158.

Détail des communications orales et posters

Conférences invitées (1-27) et autres conférences (28-99)

- 1) Renaud F., Thomas F., Cézilly F. and **De Meeûs T.** Influence of parasites in host behaviour. European Foundation workshop: "genetic conflict and parasitism". Paris, 20-22 Octobre 1994.
- 2) Cézilly F., Renaud F., **De Meeûs T.** & Thomas F. Parasitism and Biodiversity: an argument from a comparative study. Conférences Jacques Monod "Evolutionary and Ecological Processes Underlying Biodiversity", Aussois, 7-11 Novembre 1994.
- 3) **De Meeûs T.**, Coustau C. & Renaud F. Host hybridization and parasitism in marine mussels. Workshop "Population Genetics of Bivalves", Sète et La Tremblade, 6-8 Juillet 1994.
- 4) **De Meeûs T.** Host selection, genetic determination, heterogeneous environment and selection models in host parasite interactions. Conférences Jacques Monod, "Evolutionary genetics and adaptation", Aussois, 25-29 September, 1995.
- 5) **De Meeûs T.** & Renaud F. Local adaptation and habitat selection: from theory to the biological model copepods – flat fish. Workshop on Local Adaptation and Spatial Heterogeneity in Host Parasite Interactions. Organized by Susan Mopper and Yannis Michalakis and Funded by the NSF and CNRS (Paris 6-10 January 1998).
- 6) **De Meeûs T.**, Delaye C. & Renaud F. The relevance of population genetics study of infectious diseases and their vectors: the case of *Ixodes ricinus*. Third International Meeting on Molecular Epidemiology and Evolutionary Genetics of Infectious Diseases, Rio de Janeiro, 7-10 Juin 1998.
- 7) Guégan J.F., Thomas F., **De Meeûs T.**, Lek S. & Renaud, F. Global epidemiology and human infectious disease occurrences. International Workshop "Applications of Artificial Neural Networks to Ecological Modelling", Toulouse, 14-17 Décembre 1998.
- 8) Guégan J.F., Thomas F., Hochberg M.E., **De Meeûs T.** & Renaud F. Human evolution in a parasite land: a comparative approach. European Science Foundation Workshop "Evolutionary Biology of Host-Parasite Relationship : Reality Meets Models", Banyuls s/Mer, 3-7 Mai 1999.
- 9) Thomas F., Poulin R., **De Meeûs T.**, Guégan J.F. & Renaud F. Parasites and ecosystem engineering : what role could they play? European Science Foundation Workshop "Evolutionary Biology of Host-Parasite Relationships: Reality Meets Models", Banyuls s/Mer, 3-7 Mai 1999.
- 10) **De Meeûs T.**, Théron A., Prugnolle F., Durand P. & Pointier J.P. Les co-structures génétiques d'un parasite (*Schistosoma mansoni*) et de ses hôtes (mammifères et mollusques) dans la mangrove dulçaquicole de Guadeloupe: échelles spatiale, fonctionnelle et coévolutive. Séminaire du Programme Ecosystèmes Tropicaux, 1^{er}-2 Avril 2003, Paris (Poster).
- 11) **De Meeûs T.** Invasion de la Nouvelle-Calédonie par la tique du bétail *Boophilus microplus*: interactions avec les bovins et le cerf rusa, conséquences génétiques et écologiques Séminaire du programme "Invasions Biologiques", 11-12 Mars 2003, Paris.
- 12) **De Meeûs T.**, Balloux F. & Lehmann L. The population genetics of clonal and partially clonal diploids: analytical and simulation results. Seventh International Meeting on Molecular Epidemiology and Evolutionary Genetics of Infectious Diseases, Valencia, 19-22 July 2004.
- 13) **De Meeûs T.** Clonal species, clonal diversity and population genetics. The PARTNER3 workshop: "Diversity in Asexuals: patterns and processes", Muenster, 06-10 October 2004 (accommodation costs covered by the ESF, not travel expenses).
- 14) **De Meeûs T.** Asexual reproduction in infectious diseases. The PARTNER 4 workshop "The paradox of asexuality: an evaluation, London, 22-24 September 2005.
- 15) Chevillon C., Koffi B.B., Durand P., Barré N., de Garine-Witchatitsky M., **de Meeûs T.** Assessing the role of host-species differences in the genetic differentiation of the cattle tick, *Boophilus microplus*, in New Caledonia Island. XII International Congress of Acarology, Amsterdam 21-26/08 2006.
- 16) **De Meeûs T.** Invasion de la Nouvelle Calédonie par la tique du bétail *Boophilus microplus*: Interactions avec les bovins et le cerf rusa; conséquences génétiques et écologiques. Colloque de restitution du programme de recherches "Invasion Biologique", Moliets 17-19 Octobre 2006.
- 17) **De Meeûs T.** Levels of population genetics structuring of hosts, parasites and vectors and the role played by host's home, sex, genetics and individuality. Conférences Jacques Monod, Evolutionary Genetics of host parasite relationships, Roscoff, 22-26 septembre 2007.
- 18) **De Meeûs T.** Prugnolle F. & Agnew P. Asexual reproduction in infectious diseases. Invited express debate. Meegid IX Congress, Irvine 30th October-1st November 2008.

- 19) Bouyer J. & **De Meeûs T.** Express debate: How far can the population genetics of vectors help control campaigns against trypanosomiasis? What kind of improvement can we propose? MEEGID X Congress, Amsterdam 3-5 November 2010.
- 20) **De Meeûs T.** & Tibayrenc M. Express debate: Can we estimate population size of clonal trypanosomatidae and how? What is the difference with the effective population size? Is it useful? AND Clonal evolution in pathogens and its epidemiological implications. MEEGID X Congress, Amsterdam 3-5 November 2010.
- 21) **Thierry De Meeûs**, Sophie Ravel, Jean-Baptiste Rayaisse, Fabrice Courtin and Philippe Solano (IRD UMR IRD-CIRAD and CIRDES, Bobo-Dioulasso, Burkina Faso). Understanding local population genetics of *Glossina palpalis gambiensis*: the case of the isolated population in Burkina Faso. Final Research Coordination Meeting "Applying GIS and population genetics for managing livestock insect pests", London, UK 15-19 April 2013.
- 22) **Thierry De Meeûs**. La génétique des populations: Son utilisation pour l'étude des populations naturelles des glossines et des trypanosomes. Conférence invitée par le PPAAO Niger, Université de Niamey, Niger, 23 Novembre 2013.
- 23) **De Meeûs T.** Population genetics and reproductive strategies of African trypanosomes, December 3 2015, invited conference at the College of Ecology and Evolution, Sun Yat-Sen University, Guangzhou, People's Republic of China.
- 24) **De Meeûs T.** Population genetics, reproductive strategies and taxonomic diversities of African trypanosomes, 3rd Sun Yat-Sen Summer School on Ecology and Evolution, Sun Yat-Sen University, Guangzhou, PR China, July 3-9, 2016.
- 25) **De Meeûs T.** Reproductive modes, species concepts and parasites, 3rd Sun Yat-Sen Summer School on Ecology and Evolution, Sun Yat-Sen University, Guangzhou, PR China, July 3-9, 2016.
- 26) **De Meeûs T.** Vector population genetics, Meegid XIV, 14th International Conference on Molecular Epidemiology and Evolutionary Genetics of Infectious Diseases, 6-9 November 2018, Hotel Melia, Sitges, Spain.
- 27) **De Meeûs T.** Some applications of population genetics in the area of tropical diseases. Introduction to empirical population genetics to support elimination of tropical diseases; Introduction to empirical population genetics to support elimination of tropical diseases, 13-21 September 2022, CRFiMT Amphitheatre, Yaoundé, Cameroon; Project Cantam3, Career Development Fellowship (European Union).
- 28) **De Meeûs T.**, Renaud F. & Gabrion C. Biologie des Populations parasites: Un modèle expérimental pour l'étude des mécanismes de spéciation dans le genre *Lepeophtheirus* (Copepoda). 10^{ème} réunion du "Groupe de Biologie et Génétique des Populations", Pau 2-4 Septembre 1987.
- 29) **De Meeûs T.**, Renaud F. & Gabrion C. Isolement génétique de deux populations de Copépodes Parasites en situation sympatrique alloxyénique. 11^{ème} réunion du "Groupe de Biologie et Génétique des Populations", Paimpont 7-9 Septembre 1988.
- 30) **De Meeûs T.**, Manicacci D., Michalakakis Y., Renaud F. & Olivieri I. Modélisation de la spécificité dans les associations hétérospécifiques. 12^{ème} réunion du "Groupe de Biologie et Génétique des Populations", Dijon 30-31 Août et 1^{er} Septembre 1989.
- 31) **De Meeûs T.**, Manicacci D., Michalakakis Y., Renaud F. & Olivieri I. Modelisation of the specificity in symbiotic associations. Population Genetics Group. Nottingham 19-21 December 1989.
- 32) **De Meeûs T.**, Michalakakis Y., Olivieri I. & Renaud F.: Evolution of parasite populations: speciation, specificity, population genetics and modelisation. Zoologia 90, Basel 6-7 April 1990.
- 33) **De Meeûs T.**, Michalakakis Y., Olivieri I. & Renaud F. Host-parasite systems in the study of specialization, speciation and biodiversity maintenance: theoretical, experimental and field studies. Population Genetics Group. Leiden, 19-21 December 1991.
- 34) **De Meeûs T.**, Raibaut A. and Renaud F.: Speciation and specificity in parasitic copepods: Caligids of the genus *Lepeophtheirus* parasites of flatfishes in the Mediterranean. First European Crustacean Conference, Paris 31 August-5 September 1992.
- 35) Goudet J., **De Meeûs T.**, Day A.J. & Gliddon C.J. The different levels of population structuring of dogwhelks, *Nucella lapillus*, along the south Devon coast. Genetics and evolution of aquatic organisms, Bangor, 10-16 September 1992.
- 36) **De Meeûs T.** & Renaud F. Speciation and specificity in host parasite relationships. Conférence Jacques Monod: "Mechanisms of speciation", Aussois 21-25 Juin, 1993.
- 37) Thomas F., Goudet J., Raymond M., Renaud F. and **De Meeûs T.** Structuration génétique des populations de bivalves, variation allozymiques et méthodes d'analyses: comparaisons des résultats obtenus avec "Fstat", "Genepop" et le classique "Biosys". 17^{ème} réunion du "Groupe de Biologie et Génétique des Populations", Poitiers 31 Août- 2 Septembre 1994.
- 38) Thomas F., Cézilly F., Derothe J.M., Lambert A., **De Meeûs T.** & Renaud F. Parasitisme et succès reproducteur chez un amphipode. 17^{ème} réunion du "Groupe de Biologie et Génétique des Populations", Poitiers 31 Août- 2 Septembre 1994.

- 39) **De Meeûs T.** & Goudet J. Maintien de variants adaptatifs peu différenciés dans un contexte de régulation intermédiaire entre soft et hard selection. 18^{ème} réunion du "Groupe de Biologie et Génétique des Populations": Lyon (29-31 Août 1995).
- 40) Thomas F., Renaud, F., Rousset F., **De Meeûs T.** & Cézilly, F. Parasitisme et succès reproducteur et âge: implication dans l'étude de la sélection sexuelle. 18^{ème} réunion du "Groupe de Biologie et Génétique des Populations", Lyon 29-31 Août 1995.
- 41) Thomas F., Renaud F., **De Meeûs T.**, Cézilly F. & Rousset F. Parasites, age and sexual selection. Fifth Congress of the European Society for Evolutionary Biology, Edinburgh, Scotland, 4th-8th, September 1995.
- 42) **De Meeûs T.** Contraintes Biotiques: Coévolution hôte-parasite. XXVII ème rencontre de Méribel, Les Arcs, 24-30 Mars 1996.
- 43) Delaye C., Aeschlimann A., Renaud F. & **De Meeûs T.** Population genetics of the tick *Ixodes ricinus* in Switzerland. Third meeting of PhD students in evolutionary biology, Barcelona, 26 Février-2 Mars 1997.
- 44) Grillot R., **De Meeûs T.**, Mallié M., Simoens P., Mondon P., Piens M.A., Lebeau B., Viviani M.A., Bertout S., Castel D., Nolard N., Renaud, F., Chapuis F., Tortorano A.M. & Bastide J.M. Prévention de l'Aspergilliose invasive: Elaboration de recommandations basées sur des caractéristiques phénotypiques et génotypiques de souches d'*Aspergillus fumigatus* isolées de cinq pays européens. Journées Internationales d'Hygiène Hospitalière, 1997, Monaco.
- 45) Delaye C., Aeschlimann A., Renaud F. & **De Meeûs T.** Déficiets en hétérozygotes chez la tique *Ixodes ricinus*: quelle interprétation? Réunion microsatellites et génétique des populations, Paris, 26-27 Juin 1997.
- 46) Delaye C., Aeschlimann A., Renaud F. & **De Meeûs T.** Structuration génétique de populations de tiques vecteurs de micropathogènes. 20^{ème} réunion du "Groupe de Biologie et Génétique des Populations", Perpignan 2-5 Septembre 1997.
- 47) Raymond M., Vaanto R., Thomas F., Rousset F., **De Meeûs T.** & Renaud F. Regard critique sur le déficit en hétérozygote dans le complexe *Mytilus edulis*. 20^{ème} réunion du "Groupe de Biologie et Génétique des Populations", Perpignan 2-5 Septembre 1997.
- 48) **De Meeûs T.** Iles: fragmentation, structuration et goulots d'étranglements. Réunion "Parasitisme et Insularité", Montpellier, 4-5 Décembre 1997.
- 49) Solano P., De La Rocque S., **De Meeûs T.**, Geoffroy B., Dumas V., Cuny G., Sidibe I., Cuisance D. & Duvallet G. Genetic differences in natural populations of *Glossina palpalis gambiensis* of West Africa revealed by microsatellite DNA polymorphism. Society for Vector Ecology (SOVE), Lisbonne, 13-17 Octobre 1998, Portugal.
- 50) Prugnolle, F. **De Meeûs T.**, Durand P., Sire C. & Théron A. Structure génétique sexe-spécifique chez *Schistosoma mansoni*: implications évolutives et épidémiologiques. 24^{ème} réunion du "Groupe de Biologie et Génétique des Populations", Paris 27-29 Août 2001.
- 51) **De Meeûs T.** Mécanismes de spécialisation chez les parasites: le modèle Copépode – Poissons plats. Réunions du Réseau "Ecologie des Interactions Durables", 29-31 Octobre 2001 Villeurbanne (Lyon I).
- 52) Prugnolle F., **De Meeûs T.**, Durand, P., Sire C. & Théron A. Sex-specific genetic structure in *Schistosoma mansoni*: evolutionary and epidemiological implications. Population Genetics Group. Leeds 2-5 January 2002.
- 53) **De Meeûs T.**, Delaye C., Aeschlimann A., Beati L., Lorimier Y., Humair P.F., Grunau C. & Renaud F. The population genetics of *Ixodes ricinus* and Lyme borreliosis in Switzerland. Seventh International Meeting on Molecular Epidemiology and Evolutionary Genetics of Infectious Diseases, Valencia, 19-22 July 2004.
- 54) Koffi B.B. **De Meeûs T.**, Barré N., Ducornez S., De Garine Wichtatsky M. & Chevillon C. The cattle tick *Boophilus microplus* in New Caledonia Island: an invasive pathogen developing pesticide-resistance on cattle while colonizing an invasive host-species, *Cervus timorensis russa*. Poster, Seventh International Meeting on Molecular Epidemiology and Evolutionary Genetics of Infectious Diseases, Valencia, 19-22 July 2004.
- 55) **De Meeûs T.**, Delaye C., Lorimier Y., Humair P.F., Grunau C., Beati L., Aeschlimann A. & Renaud F. Des tiques, des micropathogènes, des hôtes vertébrés, des marqueurs génétiques et des biais de dispersion. 27^{ème} réunion du "Groupe de Biologie et Génétique des Populations", Paris 24-27 Août 2004.
- 56) Chevillon C., Koffi B.B., Durand P. & **De Meeûs T.** Population structure of the southern cattle tick, *Boophilus microplus*, in New-Caledonia island, 5th International Conference on Ticks and Tick-borne Pathogens, Neuchâtel 29/08-02/09 2005.
- 57) Solano P., Ravel S., **de Meeûs T.**, Dujardin J.P. & Cuny G. (2005). Role of tsetse population genetics in disease epidemiology. 54th American Society of Tropical Medicine and Hygiene, Washington DC, USA, 11-15/12/2005.
- 58) **De Meeûs T.** Présentation du groupe thématique "Tiques et maladies à tiques". Réunion du Réseau Ecologie des Interactions Durables, Dijon 9-11 Janvier 2006.

- 59) Rougeron V., **De Meeûs T.**, Hide M., Waleckx E., Arevalo J., Bermudez H., Llanos-Cuentas A., Dujardin J.C., Bañuls A.L. *Leishmania braziliensis* : population structure and reproductive mode. MEEGID VIII: 8th international meeting on molecular epidemiology and evolution genetics in infectious diseases Bangkok (THA), 30/11-02/12 2006.
- 60) **De Meeûs T.**, Koffi B.B., Barré N., De Garine-Wichatitsky M., Ducornez S., Durand P., Arnathau C., Joulia D. & Chevillon C. Invasion de la Nouvelle Calédonie par la tique du bétail *Boophilus microplus*: Adaptations aux bovins, aux traitements acaricides et aux cerfs rusa. Cinquième réunion annuelle du Réseau Ecologie des Interactions Durables (REID), Brest, 29-31 Janvier 2007.
- 61) **De Meeûs T.** Bilan de la troisième réunion du groupe "Tiques et Maladies à Tiques". Cinquième réunion annuelle du Réseau Ecologie des Interactions Durables (REID), Brest, 29-31 Janvier 2007.
- 62) **De Meeûs T.**, Koffi B.B., Barré N., De Garine-Wichatitsky M., Ducornez S., Arnathau C., Durand P., Joulia D. & Chevillon C. Invasion de la Nouvelle Calédonie par la tique du bétail *Boophilus microplus*: Adaptations aux bovins, aux traitements acaricides et aux cerfs rusa. 29^{ème} réunion du "Groupe de Biologie et Génétique des Populations", Dijon 27-30 Août 2007.
- 63) Rougeron V., **De Meeûs T.**, Hide M., Waleckx E., Arevalo J., Bermudez H., Llanos-Cuentas A., Dujardin J.C. & Bañuls A.L. Structure des populations et mode de reproduction du protozoaire parasite *Leishmania braziliensis*. 29^{ème} réunion du "Groupe de Biologie et Génétique des Populations", Dijon 27-30 Août 2007.
- 64) Kempf F., McCoy K. & **De Meeûs T.** Relations évolutives chez les tiques *Ixodes uriae* et *I. ricinus*: rôle de l'hôte dans la structuration des populations et l'évolution de la spécialisation. 29^{ème} réunion du "Groupe de Biologie et Génétique des Populations", Dijon 27-30 Août 2007.
- 65) **De Meeûs T.**, Koffi B.B., Barré N., De Garine-Wichatitsky M. & Chevillon C. Swift adaptation of the cattle tick *Rhipicephalus (Boophilus) microplus* to a new host, rusa deer, in New-Caledonia. 6th European Congress of Acarology, Montpellier 21-25 July 2008.
- 66) Kempf F., **De Meeûs T.**, Arnathau C., Degeilh B. & McCoy Karen. Within population structure of *Ixodes ricinus*, the European vector of Lyme borreliosis. 6th European Congress of Acarology, Montpellier 21-25 July 2008.
- 67) Bouyer J. Guerrini, L., Koné N. Vial, L., Ravel S., Sidibe I., Solano P. and **De Meeûs T.** Habitat, distribution and structure of riverine tsetse populations of the Mouhoun river basin in Burkina Faso: implications for control campaigns. Xth European Multicolloquium of Parasitology, Paris 24-28 August 2008.
- 68) Solano P., Ravel S., Bouyer J., Dujardin J.P., Dyer N., Camara M., Kaba D., Sidibe I., Kagbadouno M., Gardes L., Herault D., Donnelly M.J., Cuny G., **De Meeûs T.** Population genetic structure of *G. palpalis* s.l. in West Africa: consequences for tsetse control. Xth European Multicolloquium of Parasitology, Paris 24-28 August 2008.
- 69) Kempf F., **De Meeûs T.**, Arnathau C., Degeilh B., McCoy K.D. Within population structure of *Ixodes ricinus*, the European vector of Lyme borreliosis. Xth European Multicolloquium of Parasitology, Paris 24-28 August 2008.
- 70) Rougeron V., **De Meeûs T.**, Bañuls A.L., Hide M., Waleckx E., Arevalo J., Llanos-Cuentas A., Bermudez H., Dujardin J.C. Inbreeding in protozoan parasites of the genus *Leishmania*. Xth European Multicolloquium of Parasitology, Paris 24-28 August 2008.
- 71) Prugnolle F. and **De Meeûs T.** The impact of clonality on parasite population genetic structure. Xth European Multicolloquium of Parasitology, Paris 24-28 August 2008.
- 72) Rougeron V., **De Meeûs T.**, Hide M., Waleckx E., Llanos-Cuentas A., Arevalo J., Bermudez H., Dujardin J.C., De Doncker S., Le Ray D., Bañuls A.L.. Levels of inbreeding in protozoan parasites of the genus *Leishmania*? 93rd ESA Annual Meeting in Milwaukee COS 28 - Parasitism and Host-Parasite Interactions, July 2008.
- 73) **De Meeûs T.**, Bouyer J., Bucheton B., Cuny G., Gardes L., Jamonneau V., Koffi M., Ravel S. & Solano P. Human African Trypanosomiasis in Western Africa: tackling the population biology of trypanosomes and tsetse flies through population genetics and connecting the dots. **Meegid IX Congress, Irvine 30th October-1st November 2008.**
- 74) Koffi M., **De Meeûs T.**, Bucheton B., Solano P., Camara M., Kaba D., Cuny G., Ayala F.J. and Jamonneau V. Population genetics of *Trypanosoma brucei gambiense*: a clone in the dark. 30th meeting of International Scientific Council for Trypanosomiasis Research and Control, Kampala, Uganda, September 21-25, 2009.
- 75) Chevillon C., **De Meeûs T.**, Kempf F., McCoy K. D. Host-specificity as a factor of genetic divergence in ticks: Case studies in *Ixodes uriae*, *Ixodes ricinus* and *Rhipicephalus microplus*. MEEGID X Congress, Amsterdam 3-5 November 2010.

- 76) **De Meeûs T.**, Rougeron V., Koffi M., Barnabé C., Jamonneau V., Bucheton B., Bañuls A.L., Simo G., Njiokou F., Brénière F. and Solano P. Population genetic structure and reproductive strategies of trypanosomatidae: No more a clone in the dark? MEEGID X Congress, Amsterdam 3-5 November 2010.
- 77) Kaboré J., MacLeod A., **De Meeûs T.**, Bucheton B., Duffy C., Ilboudo H., Camara M., Camara O. and Jamonneau V. Tests of the different biological factors affecting the population genetic structure of *Trypanosoma brucei gambiense* in Coastal Guinea. MEEGID X Congress, Amsterdam 3-5 November 2010.
- 78) **De Meeûs T.**, Koné N., Bouyer J., Ravel S., Vial S. and Solano P.: "Smoke on the water" while "rolling on the river" or "should I stay" in the mangrove "or should I go": Population genetic structure of tsetse flies in Western Africa, an "immigrant song". MEEGID X Congress, Amsterdam 3-5 November 2010.
- 79) **De Meeus T.** and Prugnolle F. Système de reproduction et diversité génétique ou évaluation de la recombinaison chez les populations pathogènes. Atelier organisé par le CIRAD, De l'analyse de la Diversité vers l'étude de l'évolution des agents pathogènes, SANTE végétale et animale, Montpellier – Agropolis International – 2 et 3 décembre 2010.
- 80) **De Meeûs T.**, Rougeron V. & Bañuls A.L. Fonctionnement des foyers de leishmanioses tel que révélé par analyses génétiques. Colloque de restitution des projets financés par l'ANR SEST 2006, Paris, 20-21 Janvier 2011.
- 81) **De Meeûs T.**, Koffi M., Jamonneau V., Bucheton B., Simo G., Njiokou F., Salim B. and Solano P. Population genetic structure and reproductive strategies of African trypanosomes. 31st meeting of International Scientific Council for Trypanosomiasis Research and Control, Bamako, Mali, September 12-16, 2011.
- 82) Bucheton B., Camara M., Ilboudo H., Camara H., Kaboré J., **De Meeûs T.**, MacLeod A. and Jamonneau V. Nouveaux arguments en faveur de l'existence de la trypanotolérance humaine: perspectives pour une meilleure compréhension de l'interaction hôte-parasite et pour l'amélioration des stratégies de lutte. 31st meeting of International Scientific Council for Trypanosomiasis Research and Control, Bamako, Mali, September 12-16, 2011.
- 83) Melachio-Tanekou T.M., Simo G., Ravel S., **De Meeûs T.**, Causse S., Solano P., Lutumba P., Asonganyi T., Njiokou F. Structure de la génétique de population de *Glossina palpalis palpalis* du foyer de la maladie du sommeil de l'Afrique du Centre. 31st meeting of International Scientific Council for Trypanosomiasis Research and Control, Bamako, Mali, September 12-16, 2011.
- 84) Kaboré J., Ilboudo H., MacLeod A., Capewell P., Camara M., Belem A.M.G., Bucheton B., **De Meeûs T.** & Jamonneau V. Amélioration de l'amplification de locus microsatellites de *Trypanosoma brucei gambiense* à partir de fluides biologiques. Poster. 31st meeting of International Scientific Council for Trypanosomiasis Research and Control, Bamako, Mali, September 12-16, 2011.
- 85) Solano P., Ravel S., Bouyer J., **De Meeûs T.** Use of population genetics to choose between vector control strategies: the example of tsetse in West-Africa. Conference: Towards a multi-scale approach for improving pest management. Methods for tracking movement and dispersal of insect pest individuals and populations, Montpellier 04/10/2011-05/10/2011.
- 86) Modou Séré, Jacques Kaboré, Vincent Jamonneau, Adrien Marie Gaston Belem, Francisco J. Ayala and **Thierry De Meeûs**. 2013. Allelic dropouts and null allele detection in clonal organisms: simulations and application to real data sets. 32nd meeting of International Scientific Council for Trypanosomiasis Research and Control, Khartoum, Sudan, September 8-12, 2013.
- 87) **T. De Meeûs**, J. Bouyer, S. Ravel, P. Solano. Ecotype evolution in *Glossina palpalis* subspecies, major vectors of sleeping sickness. MEEGID XII, 12th International Conference on Molecular Epidemiology and Evolutionary Genetics of Infectious Diseases, 11-13 December, 2014, The Royal River Hotel, Bangkok, Thailand.
- 88) M. Séré, S. Thévenon, A.M.G. Belem, T. De Meeûs. Detecting isolation by distance with different genetic distances, with and without null alleles of insect vectors (tsetse flies). MEEGID XII, 12th International Conference on Molecular Epidemiology and Evolutionary Genetics of Infectious Diseases, 11-13 December, 2014, The Royal River Hotel, Bangkok.
- 89) **T. De Meeûs**, M. Koffi, M. Séré, W. Weir. Population genetics, reproductive strategies and taxonomic diversities of African trypanosomes. MEEGID XIII, 13th International Conference on Molecular Epidemiology and Evolutionary Genetics of Infectious Diseases, May 11-13, 2016, Tropical Medicine Institute, Antwerp, Belgium.
- 90) **T. De Meeûs**, M. Koffi, M. Séré, W. Weir. Population genetics, reproductive strategies and taxonomic diversities of African trypanosomes, TryTax 2, 2nd Trypanosomatidae Biology, Evolution, Taxonomy and Phylogeny meeting, June 14-16, 2016, Ostrava University, Faculty of Science, Czech Republic.
- 91) **De Meeûs T.**, Manangwa O., Ravel S., Beati L. New tools to detect and discriminate causes of homozygous excess and linkage disequilibrium in vectors, Meegid XIV, 14th International Conference on Molecular Epidemiology and Evolutionary Genetics of Infectious Diseases, 6-9 November 2018, Hotel Melia, Sitges, Spain.

- 92) **De Meeûs T.**, Coustau C., Amich J. The Peer Community In (PCI) project, PCI Infections, and the Peer Community Journal. 10th Tick and Tick-borne Pathogen conference (TTP.10), 29 August- 2 September 2022, Murighiol, Danube Delta, Romania.
- 93) Velez R, Younsi H, Zhioua E, Antunes S, Domingos A, Moerbeck L, Estrada-Peña A, **de Meeûs T**, Beati L, Santos-Silva M, Santos AS. Update on the interbreeding experiments between European and north-African populations of *Ixodes ricinus* (Acari: Ixodidae), Poster. 10th Tick and Tick-borne Pathogen conference (TTP.10), 29 August- 2 September 2022, Murighiol, Danube Delta, Romania.
- 94) Velez R, Younsi H, Zhioua E, Antunes S, Domingos A, Moerbeck L, Estrada-Peña A, **de Meeûs T**, Beati L, Santos-Silva M, Santos AS. Development and testing of microsatellite loci for *Ixodes ricinus* population genetics studies, Poster. 10th Tick and Tick-borne Pathogen conference (TTP.10), 29 August- 2 September 2022, Murighiol, Danube Delta, Romania.
- 95) Sophie Ravel, Mahamat Hissène Mahamat, Adeline Ségard, Rafael Argiles-Herrero, Jérémy Bouyer, Jean-Baptiste Rayaisse, Philippe Solano, Brahim Guihini Mollo, Mallaye Pèka, Justin Darnas, Adrien Marie Gaston Belem, Wilfrid Yoni, **Thierry de Meeûs**. Population genetics of *Glossina fuscipes fuscipes* from southern Chad. 36th general conference of the international scientific council for trypanosomiasis research and control (ISCTRC), 17th September 2023 - 22nd September 2023, Mombassa Kenya.
- 96) **Thierry de Meeûs**, Christine Coustau, Jorge Amich. The peer community in (PCI) project, pci infections, and the peer community journal: a diamond open access way to publish research results on trypanosomes and their vectors. Poster, 36th general conference of the international scientific council for trypanosomiasis research and control (ISCTRC), 17th September 2023 - 22nd September 2023, Mombassa Kenya.
- 97) **Thierry De Meeus**. Peer Community In. 1st Annual Montpellier Parasitology Symposium (MPS), 27th November 1.30pm - 28th November 6pm 2023, Poster, Agropolis, Amphithéâtre Louis Malassis.
- 98) **Thierry De Meeûs**, Sophie Ravel, Moise Kagbadouno, Djakaridja Berte, Hissène Mahamat, Adeline Ségard, Emilie Chancerel, Erwan Guichoux, Olivier Lepais. SSR-seq loci to study the population genetics of vectors: tsetse flies in three sleeping sickness foci: Boffa (Guinea), Bonon (Côte d'Ivoire) and Maro (Chad). 3rd Joint Conference of the AITVM-STVM entitled: 'Tropical veterinary medicine in challenging times: how should academic and research programs adapt?', Tuesday 21 to Friday 24 May 2024, CORUM International Congress Centre in Montpellier, France.
- 99) **Thierry De Meeûs**, Christine Chevillon, Thomas Pollet, Jorge Amich. The Peer Community In (PCI) project, PCI Infections, and the Peer Community Journal: a diamond open access way to publish research results on vector ecology. Poster, 3rd Joint Conference of the AITVM-STVM entitled: 'Tropical veterinary medicine in challenging times: how should academic and research programs adapt?', Tuesday 21 to Friday 24 May 2024, CORUM International Congress Centre in Montpellier, France.

Détail des enseignements

TD, TP et cours magistraux

Statistical practicals for 2 nd Degree students of Bangor (School of Biological Sciences, University of Wales)	1991-1992: 15 h
<i>Génétique, Génétique des Populations, Ecologie Evolutive.</i>	
DEUG B 2 ^{ème} année	1997-1998: 3 h
Enseignement commun pour Licence de Physiologie Végétale Appliquée et Maîtrise de Biologie des Organismes et des Populations de Montpellier	1989-1990: 30 h
Maîtrise de Biologie des Organismes et des Populations de Montpellier	1990-1991: 27 h 1991-1992: 12 h
Poste ATER	1992-1993: 192 h 1993-1994: 30 h 1994-1995: 30 h 1995-1996: 30 h 1996-1997: 30 h 1997-1998: 12 h 2000-2001: 4 h
CAPES et/ou Agreg, Université Montpellier II:	2000-2001: 1 h 15 2001-2002: 9 h 30 2002-2003: 9 h 30 2003-2004: 10 h

	2004-2005: 6 h 2005-2006: 6 h 2006-2007: 6 h 2007-2008: 6h
DEA de Sciences de l'Evolution et Ecologie de Montpellier: Maintenant Master 2 BGAE-EBE	1994-1995: 6 h 1995-1996: 3 h 1996-1997: 3 h 1997-1998: 3 h 1998-1999: 3 h 1999-2000: 4 h 2000-2001: 5 h 2001-2002: 4h 15 2002-2003: 4h 15 2003-2004: 4 h 2004-2005: 5 h 2005-2006: 6 h 2006-2007: 8h
DEA de Parasitologie et Ecologie de Montpellier: Maintenant Master 2 BGAE-BIMP	1997-1998: 2 h 1998-1999: 3 h 1999-2000: 3 h 2005-2006: 3 h 2006-2007: 3h 2007-2008: 3h 2008-2009: 3h
Master 2 (DEA) de Pathologie Humaine de Marseille: Maladies transmissibles et pathologies tropicales	1997-1998: 2 h 1998-1999: 4 h 1999-2000: 4 h 2000-2001: 4 h 2001-2002: 4 h 2002-2003: 4 h 2003-2004: 4 h 2004-2005: 4 h 2005-2006: 4 h
Master International d'Entomologie Médicale et Vétérinaire (MIEMV)	2009-2010: 8 h 2010-2011: 14 h 2011-2012: 16 h 2015-2016: 12 h 2016-2017: 14 h
Atelier d'initiation à la génétique empirique des populations : Groupe Tique et Maladies à Tiques (Institut Pasteur, Paris) CIRDES et IRD de Bobo-Dioulasso (Burkina-Faso)	12/2005: 2h 02/2007: 8h 09/2012: 24h 01/2014: 24h 01/2015: 24h
Campus CIRAD de Baillarguet (Montpellier)	07/2009: 12h 07/2010: 12h 07/2011: 15h 07/2012: 24h 26-27/04/2017: 6h 13-15/11/2017: 15h 19-21/12/2017: 12h 12-14/02/2018: 18h 3-6/12/2018: 24h 11-14/12/2018: 24h 28-31/01/2019: 24h 25-28/02/2019: 24h 25-28/11/2019: 24h 17-20/01/2022: 24h

	4-8/04/2022: 27h
	30/01-3/02/2023: 28h
	17-21/07/2023: 30h
	26-29/02/2024: 22h
	03-06/06/2024: 22h
	07-11/10/2024: 29h
	02-06/12/2024: 23h
CIRAD Agropolis	06/2013: 24h
ISRA-LNERV, Dakar-Hann, Sénégal	10/2013: 24h
	05/2025: 19h
PPAAO, Niamey, Niger	11/2013: 24h
Institut Pasteur de Madagascar, Antananarivo, Madagascar	05/2014: 27h
Université Jean Lorougnon Guédé, Daloa, Côte d'Ivoire	06/2014: 24h
Institut Pierre Richet de Bouaké, Côte d'Ivoire	04/2023: 36h
	02/2025: 33.5h
Empirical population genetics training course for beginners	
Faculty of Veterinary Medicine, Khartoum, Sudan	10/2012: 24h
Department of Biology, Georgia Southern University, Statesboro (GA) USA	05/2013: 24h
University of Zimbabwe, Harare, Zimbabwe	11/2013: 24h
Press Club Hanoi, Viet-Nam (Organised by A.L Bañuls)	11/2014: 24h
Faculty of Veterinary Technology, Kasetsart University, Bangkok, Thailand	
(Organised by Prof Worawut Rerkamnuaychoke and S. Morand)	11/2014: 24h
Biotechnology Centre, Universidade Eduardo Mondlane, Maputo, Mozambique	
(organized by Laure Guerrini and Alain Boulanger for the program GeoSaf/CIRAD)	05/2015: 24h
African Union, Addis Ababa, Ethiopia (organized by the IAEA)	09-10/2015: 24h
Computational Biology for Infectious Diseases (CBID) summer school,	
18-25/09/2016, Hanoi Vietnam	09/2016: 34h
CIRAD Baillarguet	7-8/02/2017: 13h
	23-26/09/2019: 24h
	13-16/12 2021: 24h
	10-14/01 2022: 24h
	23-26/02/2023: 22h
Instituto Nacional de Saúde Doutor Ricardo Jorge, Lisboa, Portugal	14-17/01/2020: 24h
IAEA, IPCL, Seibersdorf, Austria	15-19/11/2021: 30h
Centre for Research on Filariasis and other Tropical Diseases, Yaoundé,	
Cameroon (financed by Cantam)	13-21/09/2022: 40h
Université Polytechnique de Bobo-Dioulasso (UPB)	
Institut du Développement Rural (IDR)	
DEA de Gestion Intégrée des Ressources Naturelles (GIRN) et	
Master 2 de Biologie Appliquée et Modélisation des Systèmes Biologiques	
Cours "Rédaction et communication scientifique ":	04/2009: 21h
	02/2010: 23h
	05-06/2011: 30h
	04/2012: 25h
	03/2013: 25h
	02/2014: 16h
	03/2015: 20h
Cours "Initiation à la génétique des populations":	06/2010: 12h
	02/2011: 16h
Master 1 de Sciences et Techniques de Production Animale	
Génétique et Génétique des populations:	09/2012: 20h
	01/2014: 20h
Licence de Systèmes de Production Agricole	
Génétique et Génétique des populations:	02/2014: 18h
FAO/IAEA/PATTEC regional training course on standardised collection	
and processing of entomological and other relevant geo-referenced data as	
needed in SIT-based AW-IPM campaigns against tsetse.	
CIRDES, Bobo-Dioulasso, Burkina Faso, 1–19 February 2010:	02/2010: 2h
Formation à la rédaction scientifique et à la construction d'une communication orale	

Etudiants et stagiaires du CIRDES	06/2012: 4h
Formation d'initiation aux tests statistiques et au package Rcmdr du logiciel R Campus CIRAD Baillarguet, Montpellier, France	05/2016: 6h 03/2022: 5h 21/03/2024 : 6h 17/06/2024: 5h
Institut Pierre Richet de Bouaké, Côte d'Ivoire	04/2023: 8h 02/2025: 7h
ISRA-LNERV, Dakar-Hann, Sénégal	05/05/2025: 5h
Training course for beginners in statistical analyses with the R package R-commander Campus CIRAD Baillarguet, Montpellier, France	22/03/2024 : 6h
Stage "ADN environnemental", Rappels de génétique, Organisé à Montpellier Agropolis International par le CeMEB, Aten et le PNF, en collaboration avec le CNRS-INEE, et du GDR Génomique environnemental	11/2016: 3h
Master GIZMAT : "GESTION INTEGREE DES MALADIES ANIMALES" Module Ecologie et lutte intégrée contre les vecteurs Introduction à la génétique des populations comme méthode d'étude de l'écologie des vecteurs	11/12/2017: 1h 10/12/2018: 1h 10/12/2019: 1h 07/12/2020: 1h 06/12/2021: 1h 05/12/2022: 2h
Center for Excellence Tick Workshop, Statesboro, Georgia, USA Empirical population genetics of ticks	25/05/2018: 4h
Formation combinée à l'analyse des données et la rédaction d'articles sur la génétique des populations de parasites (trypanosomes Africains) et de leurs vecteurs (glossines), Bouaké, Côte d'Ivoire	19-27/11/2018: 71h
Consultancy Meeting on the Analysis of Cocoa Pod Borer and Tsetse Data at the IAEA's Laboratories in Seibersdorf, Austria	18-22/07/2022: 30h
The Peer Community In (PCI) project, the Peer Community Journal and PCI Infections. Master and postgraduate students of Universidad Nacional de Colombia, Bogota, Columbia	12/10/2023: 2h 12/04/2024: 2h 20/06/2025: 2h
Formation particulière de Denise Brito (Doctorante du Mozambique): Population genetics data analyses and scientific writing	10-20/12/2024: 29h
Introduction to empirical population genetics to study diseases and their vectors Master DYNAMID, course Examination	21/01/2025: 3h 02/2025: 3h

Détail des encadrements et évaluation de la recherche

Stages de 2^{ème} cycle

Samuel Roure, Maîtrise BOP Montpellier II, 1994-1995.
Antoine Gérigne, Magister BMC ENS Lyon, 1994-1995.
Olivier Bru, Maîtrise BOP Montpellier II, 1995-1996.
Ingrid Daude, Maîtrise BOP Montpellier II, 1996-1997.
Sandrine Alonso, Maîtrise de Biochimie Montpellier II, 2003-2004.

Stages de DEA et Master2 (*: obtention d'une allocation de thèse)

Stage principal du DEA de Sciences de l'Evolution et Ecologie de Nathalie Magnan (Montpellier II, 1990).

Stage principal du DEA de Sciences de l'Evolution et Ecologie de Frédéric Thomas* (Montpellier II, 1993).

Stage principal du DEA de Sciences de l'Evolution et Ecologie de Michel de Garine Wichatitsky* (Montpellier II, 1994).

Stage principal du DEA de Sciences de l'Evolution et Ecologie de Christelle Delaye* (Montpellier 1995).

Stage principal du DEA de Biologie de l'Evolution et Ecologie de Elodie Gazave* (Montpellier 1999).

Stage Principal du DEA de Biologie de l'Evolution et Ecologie de Franck Prugnolle* (Montpellier 2000).

Stage principal du DEA de Biologie de l'Evolution et Ecologie de Damien Caillaud* (Montpellier 2003).

Stage du DEA de Biologie de l'Evolution et Ecologie de Florent Kempf* (Montpellier 2005).

Stage du Master 2 BGAE BIMP Montpellier 2 de Virginie Rougeron* (Montpellier 2006)

Stage annexe du DEA d'Ecologie Générale et Productions Végétales d'Olivier Verneau* (Orsay-Paris XI, 1991).

Stage de DEA GIRN de l'Université Polytechnique de Bobo-Dioulasso de Modou Séré* (1^{er} Septembre 2010-25 Juin 2011).

Master 2 EcoEpi de Montpellier de Julie Garona (Juin 2025).

Diplôme Suisse

Jean Pierre Škalamera (Université de Bâle, 1995-96).

Christian Moccia (Université de Neuchâtel, 2000-01).

Codirection de thèses (*: direction principale), devenir et nombre de publications (parues ou sous presse) issues de ma supervision.

Christelle Delaye* (Sciences de l'Evolution et Ecologie Montpellier), soutenue le 27/11/1998. Institutrice, 5 publications.

Philippe Solano (Parasitologie, Montpellier), soutenue le 21/10/1998. CR1 IRD, 2 publications.

Michel de Garine Wichatitsky (Sciences de l'Evolution et Ecologie, Montpellier), soutenue le 29 Novembre 1999. MR CIRAD, 1 publication.

Franck Prugnolle* (Biologie Evolution et Ecologie, Montpellier) soutenue le 19/12/2003. CR CNRS, 9 publications.

Brou Basile Koffi (Biologie Evolution Ecologie, Montpellier) soutenue le 24/10/2006. MC Abidjan (CI), 5 publications.

Florent Kempf* (SIBAGHE, Montpellier) soutenue le 12/12/2008. IR INRA, 4 publications.

Virginie Rougeron* (SIBAGHE, Montpellier) soutenue le 17 Décembre 2009. CR CNRS, 7 publications.

Jacques Kaboré (Université Polytechnique de Bobo-Dioulasso/CIRDES, Burkina Faso) soutenue le 01/10/2011 à Bobo-Dioulasso. Enseignant Chercheur à l'UPB (Bobo-Dioulasso), 2 publications.

Modou Séré (Université Polytechnique de Bobo-Dioulasso/CIRDES, Burkina Faso) soutenue le 16/11/2015 à Bobo-Dioulasso. Enseignant chercheur à l'Université de Dédougou, 3 publications.

Inoussa Compaoré (Université Polytechnique de Bobo-Dioulasso/CIRDES, Burkina Faso), dtae de début 2012 et soutenue le 18 Janvier 2017 à Bobo-Dioulasso, Enseignant à l'Université Polytechnique de Bobo-Dioulasso.

Olivier Amoussou (Co-tutelle Université Polytechnique de Bobo-Dioulasso/CIRDES/Université d'Abomey-Calavi, Burkina-Faso, Bénin), date de début en 2014 et soutenue en 2018.

Rodrigue Konan (Université Félix Houphouët-Boigny, Abidjan, Côte d'Ivoire), à soutenir en 2025, 2 publications.

Denise Brito (University of Pretoria - PhD in Veterinary Tropical Diseases, Department of Veterinary Tropical Diseases, South-Africa; Centro de Biotecnologia, Universidade Eduardo Mondlane, Moçambique), soutenue en Février 2025, 1 publication, Enseignante Chercheuse à Universidade Eduardo Mondlane, Moçambique, 1 publication.

Encadrements de chercheurs

Cheikh-Tidiane BA MC (aujourd'hui Professeur à l'Université de Dakar, Sénégal), 6 mois, 1992-1993 (2 publications).

Jasna Maršić LUCIC Assistante de Recherches (Split, Croatie), 6 mois, 1993-1994.

Brigitte DEGEILH MCUPH (Rennes), 3 mois, 1994.

Viliam SNABEL Assistant de Recherches (Košice, Slovaquie), 2x15 jours (1997, 1998).

Alassane KEBE, M.C. (Faculté des Sciences et Techniques de Nouakchott, Mauritanie), 1 mois, 1996.

Leigh DAWSON, Post Doctorat, année 97-98.

François NEBAVI, M.C. (Université d'Abidjan, Côte d'Ivoire), 15 jours (2000) (1 publication).

Loubna Dib, MC à l'Institut Vétérinaire du Centre Universitaire El Tarf (Algérie), un mois (2005) (1 publication).

Oliver Manangwa (PhD), Vector and Vector Borne Disease Research Institute, P.O.Box 1026, Tanga, Tanzania, 2 mois (2017) (1 publication).

Modou Séré, Enseignant chercheur à l'Université de Dédougou, Burkina Faso, 40 jours (2017) (deux publications).

Jacques Kaboré (Enseignant Chercheur, Université de Bobo-Dioulasso, Burkina Faso), 15 jours (2017) (un article).

Kodjo Glato, enseignant-chercheur de l'Université de Lomé, Togo, 1.5 mois (2019) (disparu dans le crash de l'avion d'Ethiopian Airline du 10 Mars 2019).

Encadrement de thésards (stages de formation)

Musa T. Tivapasi, University of Zimbabwe, Harare, Zimbabwe, 1 mois (2017).

Djakaridja Berté, Université Felix Houphouët Boigny Abidjan, Côte d'Ivoire, 15 jours (2017) (1 publication).

Martial N'Djetchi, Université Jean Lorougnon Guédé De Daloa, Côte d'Ivoire, 15 jours (2017).

Denise Brito (University of Pretoria - PhD in Veterinary Tropical Diseases, Department of Veterinary Tropical Diseases, South-Africa; Centro de Biotecnologia, Universidade Eduardo Mondlane, Moçambique), janvier-février 2023.

Rodrigue Konan (Université Félix Houphouët-Boigny, Abidjan, Côte d'Ivoire), Juin-Novembre 2023.

Rodrigue Konan (Université Félix Houphouët-Boigny, Abidjan, Côte d'Ivoire), Mars-Avril 2024.

Denise Brito (University of Pretoria - PhD in Veterinary Tropical Diseases, Department of Veterinary Tropical Diseases, South-Africa; Centro de Biotecnologia, Universidade Eduardo Mondlane, Moçambique), 10-20 Décembre 2024.

Participation à des jurys de DEA à l'UPB (mini thèses)

Fanny Bouyer, DEA Gestion Intégrées des Ressources Naturelles de l'Université Polytechnique de Bobo-Dioulasso, le 04/12/2009.

Modou Séré, DEA Gestion Intégrées des Ressources Naturelles de l'Université Polytechnique de Bobo-Dioulasso, le 25/06/2011.

Hassane Yayé-Abdou, DEA de Gestion Intégrées des Ressources Naturelles de l'Université Polytechnique de Bobo-Dioulasso, le 01/10/2011.

Participation à des jurys de thèses (*: rapporteur)

Zhenquin Zhu: Université de Perpignan, 20 Décembre 1995.

Nadera Chouicha: Université Montpellier I, 15 Avril 1996.

Brigitte Degeilh: Université de Rennes I, 26 Novembre 1996.

Christelle Delaye, Université Montpellier II, 27 Novembre 1998.

Michel de Garine Wichatitsky, Université Montpellier II, 29 Novembre 1999.

Marie-Laure Guillemain*, Université Paris XIII), le 10 Juillet 2000.

Christel Sire, Université de Perpignan, le 22 Septembre 2000.

Catherine Badoc*, Université de Montpellier I, le 28 Novembre 2001.

Thèse de Magali Théraud, Université de Rennes 1, le 17 Septembre 2003.

Pierre Fontanillas*, Université de Lausanne, 12 Septembre 2003 (soutenance privée) et le 10 Octobre 2003 (soutenance publique).

Franck Prugnotte, Université Montpellier II, le 19 Décembre 2003.

Brou Basile Koffi, Université Montpellier II, le 24 Octobre 2006.

Jérôme Carletto*, Université de Nice Sophia-Antipolis, le 16 Mai 2008.

Florent Kempf, Université Montpellier II, le 12 Décembre 2008.

Oumou Maïga-Askofaré*, Université de Paris-René Descartes, le 24 Juin 2009.

Aude Gilabert*, Agrocampus Ouest-Université de Rennes 1, le 6 Juillet 2009.

Virginie Rougeron, Université Montpellier II, le 17 Décembre 2009.

Christoph Sandrock*: Universität Zürich, 23/02/2011.

Massila Wagué Senghor: Université Montpellier II, le 31 Octobre 2011.

Maurice Marcel Sandeu: Université de Montpellier, le 15 Décembre 2016 (en tant que président).

Participation à des jurys d'HDR (*: rapporteur)

Gilles Béna, Université Montpellier II, le 5 Décembre 2008.

Référent pour l'école doctorale GAIA

Emeline Sabourin: 2016-2017

Cécile Molinier: 2019-2021

Détail des contrats de recherche

- Programme International de Collaboration Scientifique (PICS) avec l'Institut de Zoologie de Neuchâtel (Professeur A. Aeschlimann) sur la génétique des populations de tiques vecteurs de micropathogènes (1995-1997) (France : 280.000 FF ; 100.000 FF du CNRS-MDRI, 100KF du CNRS-SDV et 80.000 FF du MAE ; Suisse : 65.000 FS du FNRS)
- Programme Environnement vie et sociétés, comité Dynamique de la Biodiversité sur les " Mécanismes de spécialisation chez les parasites : le modèle copépodes-poissons plats " (1998-1999) (90 KF du CNRS-SDV)
- Programme "Ecosystèmes tropicaux", Ministère de l'Ecologie et du Développement durable, "Les co-structures génétiques d'un parasite (*Schistosoma mansoni*) et de ses hôtes (mammifères et mollusques) dans la mangrove dulçaquicole de Guadeloupe : échelles spatiale, fonctionnelle et coévolutive" (2003-2006) (50 000 €).
- Programme "Invasions biologiques", Ministère de l'Ecologie et du Développement durable, "Invasion de la Nouvelle Calédonie par la tique du bétail *Boophilus microplus*: Interactions avec les bovins et le cerf rusa, conséquences génétiques et écologiques", (2003-2006) (57000 €).
- Programme "Santé-Environnement, Santé-Travail (SEST)" de l'ANR, "Impact de l'anthropisation et de l'environnement sur le fonctionnement des foyers de leishmanioses (IAEL). Analyses génétiques et épidémiologiques dans le sud de la France, en Guyane Française et au Sénégal" (2007-2010) (250 000 €).
- Programme PEERS-AIRD: Trypanosomes et tsé-tsé en Afrique de l'Ouest : apport de la génétique des populations (TAO) (2011-2013) (55 000 €).
- Participation à projets: Plasmodium vivax in newly independent states (Vivax NIS) (Resp C Severini, IRD)(01/2000-09/2005); FP7-INCO-DEV, Tsetse flies and the control of African Sleeping sickness (Resp Mike Lehané, Liverpool) (2.5 M€, 2006-2010); Fonds de Solidarité Prioritaire (FSP) du Ministère Français des Affaires Etrangères, Recherches en Entomologie, Formation et Stratégies de prévention, le cas du paludisme et de la THA (REFS) (Resp Marie-Claire Henry, MAE) (2 M€, 2007-2010); Laboratoire mixte international (LMI) sur les maladies à Vecteurs de Bobo-Dioulasso (LAMIVECT), IRD (150 k€, 2011-2013); TrypanoGEN: an integrated approach to the identification of genetic determinants of susceptibility to trypanosomiasis, "The Human Heredity and Health in Africa" (H3Africa) (NIH and Wellcome Trust) (4.122 millions USD, 2014-2018). Clonix "Une révision en profondeur de la Génétique des Populations et de la Génomique des Organismes clonaux" (Projet ANR- 11-BSV7-007, 363000 euros, 2012-2016, Resp. Sophie Arnaud-Haond). Clonix2D " Les conséquences génétiques de reproduction partiellement clonale dans les populations colonisant de nouveaux territoires" (ANR CE32 - Dynamique des écosystèmes et de leurs composants en vue de leur gestion durable - PRC 20, 438000 euros, 48 mois à partir du début 2019, Resp Solenn Stoeckel). Combat " Controlling and progressively Minimizing the Burden of Animal Trypanosomiasis" (H2020-SFS-2018-2020, Sustainable Food Security, 5900 k€, 48 mois (2021-2025), Resp. Alain Boulanger); Gates Foundation Trypano (2023-2025, en renouvellement pour 3 ans) 1000 k€ (Resp P. Solano). Ces deux derniers projets mobilisent près de 80% de mes activités de recherche ces quatre dernières années.

Divers

Programmes informatiques

Programme Habitat pour simuler l'évolution de la sélection d'habitat et de l'adaptation à un environnement variable en vue d'une utilisation en TP de génétique des populations.

Programme Clonality permettant de tester la relation entre succès clonal et hétérozygotie (Prugnolle et al. 2008, Mol. Ecol. Res., **8**, 954–956).

Programme MultiTest V1-2 permettant de combiner des *P*-values de tests indépendants par la méthode binomiale généralisée (De Meeûs et al. 2009, BMC Bioinf. **10**, 443)).

Collaborations nationales et internationales

Department of Biology, Statesboro, Georgia Southern University, Statesboro, Georgia, USA.

Centro de Estudos de Vetores e Doenças Infeciosas Dr. Francisco Cambournac, Instituto Nacional de Saúde Doutor Ricardo Jorge (CEVDI-INSA), Águas de Moura, Portugal.

PNLTHA, Conakry, Guinée.

CIRDES, Bobo-Dioulasso, Burkina-Faso.

Université Nazi Boni, Bobo-Dioulasso, Burkina Faso

Université Jean Lorougnon Guédé, LIHME, Daloa, Côte d'Ivoire.

Institut Pierre-Richet, Bouaké, Côte d'Ivoire.

ISRA/LNERV, Dakar, Sénégal.

IRED, Ndjaména, Tchad.

PNLTHA, Ndjaména, Tchad

Department of Genetic Characterization of Populations and Biodiversity, Biotechnology Centre, Eduardo Mondlane University, Maputo, Mozambique

Department of Veterinary Tropical Diseases, University of Pretoria, Pretoria, South Africa.

Veterinary Faculty, Eduardo Mondlane University, Maputo, Mozambique.